Schweizerische Eidgenossenschaft
Confédération suisse
Confederazione Svizzera
Confederaziun svizra

Département fédéral de l'économie,
de la formation et de la recherche DEFR
Agroscope
Développement de méthodes et analytique (MEA)

Liste des techniques d'analyse

Personnes de contact :			
	Resp. Domaine de compétence Développement de méthodes et analytique	jucr	corinne.jud@agroscope.admin.ch
	Resp. Groupe de recherche Chimie des aliments pour animaux	duse	sebastien.dubois@agroscope.admin.ch
	Resp. Groupe de recherche Biologie des aliments pour animaux	prni	nicolas.pradervand@agroscope.admin.ch
	Resp. Team Minéraux et analyses NIRS	chma	marlyse.chatton@agroscope.admin.ch
	Resp. Team protéines et Nutriments	drla	laurent.droux@agroscope.admin.ch

Légendes	* = l'incertitude de mesure accompagne le résultat	SEP = Erreur standard de validation (à confirmer, modèle évolutif)	(1) = Aliment composé
	F & H=Foin & Herbe / D & G=Dürrfutter & Grünfutter;	rel.= relatif(v) & abs.= absolu / absolut;	(2) = rel.: relatif; abs.: absolu
Commentaire phytase (f/d/e):	(f)	(2a) Une unité de phytase (U) correspond à la quantité d'enzyme qui libère 1 micromole de phosphate inorganique par minute à partir d'une solution de phytate 5.0mM dans les conditions de réaction décrites dans la norme ISO 30024 (pH=5.5 ; 37°C;	
	(e)	(2a) One unity of phytase (U) is the amount of enzyme which liberates 1 micromole of inorganic phosphate from phytate per minute under reaction conditions described in the ISO Norm 30024 with a phytate concentration of 5,0mM at pH 5,5 and 37°C, measured at 415nm.	
Abréviations OGM:	(f)	GQXXX : analyse quantitative de l'ogm XXX	
	(e)	GVXXX : analyse qualitative de l'ogm XXX	

Responsable	analyte	code	nom de la méthode	numéro de méthode (ME)	Accrédité (domaine STS 0077)	Incertitude de mesure (type B)	Type de résultats	Technique analytique (principe de mesure)
prni	Botanical composition	MICZ	Composition d'aliment par microscopie	13.2.2.ME.001	oui	n/a	qualitatif	Microscopie
prni	Terrestrial vertebrate particles	MICT_L	Détection de constituants d'origine animale dans les aliments pour animaux par la microscopie	13.2.2.ME.002	oui	n/a	qualitatif	Microscopie
prni	Fish particles	MICT_F	Détection de constituants d'origine animale dans les aliments pour animaux par la microscopie	13.2.2.ME.002	oui	n/a	qualitatif	Microscopie
prni	Undesirable substances	MICK_U	Détection d'organismes et fragments contaminants par microscopie	13.2.2.ME.003	oui	n/a	qualitatif	Microscopie
prni	Botanical impurity	MICK_I	Détection d'organismes et fragments contaminants par microscopie	13.2.2.ME.003	oui	n/a	qualitatif	Microscopie
prni	Ambrosia	MICK_A	Détection d'organismes et fragments contaminants par microscopie	13.2.2.ME.003	oui	n/a	qualitatif	Microscopie
prni	Aflatoxins	AFEL	Aflatoxine B1 ELISA	13.2.3.ME.001	non	± 35%	Semi-quantitatif	Microbiologie classique
prni	Deoxnivalenol	DOEL	Déoxynivalénol dans les aliments pour animaux par test ELISA	13.2.3.ME.002	oui	± 39.74%	Semi-quantitatif	Microbiologie classique
prni	Toxins T-2 + HT-2	T2EL	T-2 toxine dans les céréales et les aliments pour animaux ELISA	13.2.3.ME.003	non	n/a	Semi-quantitatif	Microbiologie classique
prni	Zearalenone	ZEEL	Zéaralénone dans les céréales et les aliments pour animaux ELISA	13.2.3.ME.004	oui	± 28.86%	Semi-quantitatif	Microbiologie classique
prni	Fumonisin B1	FUEL	Fumonisine B1 dans les aliments pour animaux par test ELISA	13.2.3.ME.005	non	± 23%	Semi-quantitatif	Microbiologie classique
prni	Ochratoxine A	OAEL	Ochratoxine A dans les aliments pour animaux par test ELISA	13.2.3.ME.006	non	± 10.18%	Semi-quantitatif	Microbiologie classique
prni	Colistin	COLS	Colistine qualitatif dans les aliments	13.2.4.ME.001	non	n/a	qualitatif	Microbiologie classique
prni	Chlortetracycline	CTC	CTC, OTC, TC dans les aliments et concentrés	13.2.4.ME.002	non	concentrés: 2.99%; alim. mélangés: 14.87%	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Oxytetracycline	OTC	CTC, OTC, TC dans les aliments et concentrés	13.2.4.ME.002	non	concentrés: 2.99%; alim. Mélangés : 14.87%	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Tetracycline	TC	CTC, OTC, TC dans les aliments et concentrés	13.2.4.ME.002	non	concentrés: 2.99%; alim. Mélangés : 14.87%	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Colistin	COLM	Colistine quantitative dans les aliments pour animaux et concentrés	13.2.4.ME.004	non	n/a	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Screening antibiotics	ABSC	Screening antibiotiques: Détection qualitative de pénicilline et tétracyclines dans aliments animaux	13.2.4.ME.005	non	n/a	qualitatif	Microbiologie classique
prni	Enterobacteriaceae	ENTE	Dénombrement des Entérobactériacées	13.2.5.ME.001	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Escherichia coli	ECOL	Escherichia coli dans les aliments liquides pour animaux	13.2.5.ME.002	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Water activity	AW	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	n/a	qualitatif	Microbiologie classique
prni	Aerobic mesophilic germs	BKZ	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Product typical bacteria	BKZ1	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Spoilage-indicating bacteria	BKZ2	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Streptomycetes	BKZ3	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Moulds	FKZ	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Moulds - DG18 Agar	FKZ	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Moulds - Phytone yeast Agar	FKZ	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Moulds - Rose Bengale Agar	FKZ	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Product typical moulds	FKZ4	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Spoilage-indicating moulds	FKZ5	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Mucorales	FKZ6	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Yeasts	HKZ	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Yeasts - DG18 Agar	HKZ	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Yeasts - Phytone yeast Agar	HKZ	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Yeasts - Rose Bengale Agar	HKZ	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Microbial quality	MIQUG	CHMA_Qualité microbiologique des aliments pour animaux	13.2.5.ME.003	oui	n/a	qualitatif	Microbiologie classique
prni	B.subtilis & B. licheniformis	BBKZ	Dénombrement de Bacillus licheniformis et Bacillus subtilis (probiotiques) aliments pour animaux	13.2.6.ME.001	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Pediococcus acidilactici	PAKZ	Dénombrement de Pediococcus acidilactici (probiotique)	13.2.6.ME.002	non	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Saccharomyces cerevisiae	HPKZ	Dénombrement de Saccharomyces cerevisiae selon VDLUFA	13.2.6.ME.003	oui	0.3 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Enterococcus faecium	EKZ	Dénombrement d'Enterococcus faecium (probiotique) dans les aliments pour animaux selon VDLUFA	13.2.6.ME.004	oui	0.5 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Lactobacillia	LAKZ	Dénombrement de lactobacilles dans les aliments pour animaux selon VDLUFA	13.2.6.ME.006	non	0.3 val log10	quantitatif	Microbiologie classique
prni	Saccharomyces cerevisiae	HEID	Probiotiques : identification de différentes Saccharomyces cerevisiae par PCR	13.2.6.ME.008	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Enterococcus faecium	ENTEID	Probiotiques : identification d'Enterococcus faecium et E. faecalis par PCR	13.2.6.ME.009	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Soybean Mon87701	GQ87701	OGM : détection quantitative par RT-PCR du soja Mon87701	13.2.7.ME.001	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Soybean CV127	GQ127	OGM : détection quantitative par RT-PCR du soja CV127	13.2.7.ME.002	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Soybean Mon87705	GQ87705	OGM : détection quantitative par RT-PCR du Soja Mon87705	13.2.7.ME.003	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Soybean Mon87769	GQ87769	OGM : détection quantitatif par RT-PCR du soja Mon87769	13.2.7.ME.004	oui	*	quantitatif	PCR
prni	DNA : Soybean (Glycine max)	GVSoybean	DNA from plants : Soybean	13.2.7.ME.005	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Soybean GTS40-3-2 (RR)	GQRR	OGM : détection quantitative par RT-PCR du soja GTS 40-3-2 (RR)	13.2.7.ME.005	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Soybean DAS-68416-4	GQ68416	OGM : détection quantitative par rt-PCR du Soja DAS-68416-4	13.2.7.ME.006	oui	*	quantitatif	PCR

prni	Maize DAS-40278-9	GQ40278	OGM : détection quantitative par RT-PCR du maïs DAS-40278-9	13.2.7.ME.007	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Soybean Mon87708	GQ87708	OGM : détection quantitative par RT-PCR du Soja Mon87708	13.2.7.ME.008	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize Mon87460	GQ87460	OGM : détection quantitative par RT-PCR du Maïs Mon87460	13.2.7.ME.009	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Soybean DAS-81419-2	GQ81419	OGM : détection quantitative par RT-PCR du Soja DAS-81419-2	13.2.7.ME.010	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Rapeseed Mon88302	GQ88302	OGM : détection quantitative par RT-PCR du Colza Mon88302	13.2.7.ME.011	oui	*	quantitatif	PCR
prni	DNA : Rapeseed (Brassica napus)	GVRapeseed	DNA from plants : Rapeseed	13.2.7.ME.012	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Rapeseed DP-073496-4	GQ73496	OGM : détection quantitative par RT-PCR du Colza DP-073496-4	13.2.7.ME.012	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize 5307	GQ5307	OGM : détection quantitative par rt-PCR du Maïs 5307	13.2.7.ME.013	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize Mon87427	GQ87427	OGM : Détection du maïs Mon87427	13.2.7.ME.014	oui	*	quantitatif	PCR
prni	DNA : Cotton (Gossypium)	GVCotton	DNA from plants : Cotton	13.2.7.ME.016	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Cotton GHB119	GQ119	OGM : détection quantitative par rt-PCR du coton GHB119	13.2.7.ME.016	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Soybean DAS-44406-6	GQ44406	OGM : Détection du soja DAS44406-6	13.2.7.ME.017	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize VCO-01981-5	GQVCO	Détection quantitative par rt-PCR du maïs VCO-01981-5	13.2.7.ME.019	oui	*	quantitatif	PCR
prni	DNA : Maize (Zea mays)	GVMaize	DNA from plants : Maize	13.2.7.ME.019	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Rapeseed RF3	GQRF3	OGM : détection quantitative par rt-PCR du colza RF3	13.2.7.ME.020	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Promoter p-FMV	GVPFMV	OGM : Détection quantitative du promoteur du virus de la mosaïque du Scrofulaire (PFMV) (screening)	13.2.7.ME.021	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Soybean FG72	GQFG72	OGM : détection quantitative par rt-PCR du Soja FG72	13.2.7.ME.022	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize MON87403	GQ87403	OGM : détection quantitative par rt-PCR du Maïs Mon87403	13.2.7.ME.025	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Plant gen	GVPLANTE	OGM : détection qualitative par rt-PCR de PLANT (screening)	13.2.7.ME.026	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Maize DP-4114-3	GQ4114	OGM : détection quantitative par rt-PCR du Maïs DP-4114-3	13.2.7.ME.027	oui	*	quantitatif	PCR
prni	DNA : Rice (Oryza)	GVRice	DNA from plants : Rice	13.2.7.ME.028	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Riz LLrice62	GQLL62	OGM: détection quantitative par rt-PCR du riz LLRICE62	13.2.7.ME.028	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize Mon87411	GQ87411	OGM : détection quantitative par rt-PCR du maïs Mon87411	13.2.7.ME.029	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Soybean Mon87751		OGM : détection quantitative par rt-PCR du Soja Mon87751	13.2.7.ME.030	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize MZHG0JG		OGM : détection quantitative par rt-PCR du Maïs MZHG0JG	13.2.7.ME.031	oui	*	quantitatif	PCR
prni	DNA : Wheat (Triticum)	GVWheat	OGM : Détection qualitative de l'endogène du blé (Glutenin)	13.2.7.ME.036	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Rapeseed MS1	GVMS1	OGM : détection qualitative par rt-PCR du colza MS1	13.2.7.ME.037	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Rapeseed RF1	GVRF1	OGM : détection qualitative par rt-PCR du colza RF1	13.2.7.ME.038	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Rapeseed RF2	GVRF2	OGM : détection qualitative par rt-PCR du colza RF2	13.2.7.ME.039	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Rapeseed MS11	GVMS11	OGM : détection qualitative par rt-PCR du colza MS11	13.2.7.ME.040	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Promoter P35S (CaMV)	GVP35S	OGM: recherche qualitative et quantitative par rt-PCR du promoteur 35S (screening)	13.2.7.ME.048	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize DAS 59122-7	GQDAS	OGM : détection quantitative par RT-PCR du maïs DAS 59122-7	13.2.7.ME.053	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Soybean A2704-12	GQA27	OGM : détection quantitative par RT-PCR du Soja A2704-12	13.2.7.ME.059	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Rapeseed Topas 19/2		OGM : détection quantitative par rt-PCR du colza Topas 19/2	13.2.7.ME.060	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Alfalfa J101	GVJ101	OGM : détection qualitative par rt-PCR de la luzerne J101	13.2.7.ME.061	non	n/a	qualitatif	PCR
prni	Alfalfa J163	GVJ163	OGM : détection qualitative par rt-PCR de la luzerne J163	13.2.7.ME.062	non	n/a	qualitatif	PCR
prni	Alfalfa KK179	GVKK179	OGM : détection qualitative par rt-PCR de la luzerne KK179	13.2.7.ME.063	non	n/a	qualitatif	PCR
prni	Terminator T-NOS	GVTNOS	OGM : Screening 35S/Nos par RT-PCR	13.2.7.ME.065	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Soybean SYHT0H2		OGM : détection quantitative du soja SYHT0H2	13.2.7.ME.066	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Soybean GMB151		OGM : détection quantitative par rt-PCR du soja GMB151	13.2.7.ME.067	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Soybean GTS40-3-2 (RR)	GQRR	OGM : détection quantitative par ddPCR du soja GTS 40-3-2 (RR)	13.2.7.ME.069	non	*	quantitatif	PCR
prni	DNA origin animal	TBSC	ADN d'origine animale : screening animal qualitatif	13.2.8.ME.002	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	DNA : Fish	TBFI	ADN d'origine animale: détection qualitative des poissons osseux	13.2.8.ME.003	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	DNA : Beef	TBBV	ADN d'origine animale: détection qualitative du boeuf	13.2.8.ME.004	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	DNA : Swine	TBPI	ADN d'origine animale: détection qualitative du porc	13.2.8.ME.005	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	DNA : Poultry	TBPL	ADN d'origine animale: détection qualitative du poulet	13.2.8.ME.006	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	DNA : Human	TBHU	ADN d'origine animale : détection qualitative de l'humain	13.2.8.ME.007	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	DNA : Horse	TBCV	ADN d'origine animale : détection qualitative du cheval	13.2.8.ME.008	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	DNA : Ruminant	TBRUM	ADN d'origine animale : Détection qualitative d'ADN de ruminants (selon annexe VI de l'EC 152/2009)	13.2.8.ME.009	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Apis mellifera	FBV_AM	Détection qualitative des loques européennes et américaines	13.2.9.ME.004	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Melissococcus plutonius	FBV_MP	Détection qualitative des loques européennes et américaines	13.2.9.ME.004	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Paenibacillus larvae	FBV_PL	Détection qualitative des loques européennes et américaines	13.2.9.ME.004	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	CaMV (Cauliflower Mosaic Virus)	GVCAM	OGM screening : Détection du virus de la mosaïque du chou-fleur (CaMV)	13.2.ME.020	non	n/a	qualitatif	PCR
prni	Melamin	MEEL	Mélamine dans les aliments pour animaux par test ELISA	13.2.ME.029	non	n/a	Semi-quantitatif	Microbiologie classique
prni	Rapeseed MS8	GQMS8	OGM : détection quantitative par rt-PCR du colza MS8	13.2.ME.034	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Rapeseed T45		OGM : détection quantitative par rt-PCR du colza T45	13.2.ME.037	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize Starlink	GSTA	OGM : détection qualitative du maïs Starlink	13.2.ME.046	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Maize T25	GQ25	OGM : détection quantitative du maïs T25 par rt-PCR	13.2.ME.050	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Rapeseed GT73	GQ73	OGM : détection quantitative par RT-PCR du Colza GT73	13.2.ME.051	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize 3272	GQ3272	OGM : détection quantitative par RT-PCR du maïs 3272	13.2.ME.052	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize GA21	GQ21	OGM : détection quantitative par RT-PCR du maïs GA21	13.2.ME.054	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize Mir162	GQ162	OGM : détection quantitative par RT-PCR du Maïs Mir162	13.2.ME.055	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize Mir604	GQMir	OGM : détection quantitative par RT-PCR du maïs Mir604	13.2.ME.056	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize NK603	GQNK	OGM : détection quantitative par RT-PCR du maïs NK603	13.2.ME.057	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize TC1507	GQHX	OGM : détection quantitative par rt-PCR du maïs TC1507 (herculex)	13.2.ME.058	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Soybean A5547-127	GQA55	OGM : Détection quantitative par RT-PCR du Soja A5547-127	13.2.ME.060	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Soybean Mon89788	GQ897	OGM : détection quantitative par RT-PCR du Soja Mon89788	13.2.ME.061	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize MON863	GQ863	OGM : détection quantitave par RT-PCR du maïs Mon863	13.2.ME.062	oui	*	quantitatif	PCR
prni	DNA : Potato (Solanum tuberosum)	GVPotato	DNA from plants : Potato	13.2.ME.063	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Potato EH92-527-1	GV92	OGM : détection quantitative par rt-pcr de la pomme de terre EH92-527-1	13.2.ME.063	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Rapeseed OXY-235	GVOXY	OGM : Détection qualitative du colza OXY-235	13.2.ME.066	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Herbicide resistance bar gene	GVBAR	OGM screening : Détection du gène BAR	13.2.ME.067	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Herbicide resistance gene ctp2-cp4-epsps	GVCTP	OGM screening : Détection du gène ctp2-cp4epsps	13.2.ME.067	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Herbicide resistance pat gene	GVPAT	OGM screening : Détection du gène PAT	13.2.ME.067	oui	n/a	qualitatif	PCR

prni	Maize BT10	GV10	OGM: détection qualitative du maïs Bt10	13.2.ME.068	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Maize BT11	GQ11	OGM: détection quantitative par rt-PCR du Maïs Bt11	13.2.ME.071	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize MON810	GQ81	OGM: détection quantitative par RT-PCR du maïs Mon810	13.2.ME.072	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize BT176	GQ17	OGM: recherche quantitative par rt-PCR du Maïs Bt176	13.2.ME.073	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Promoter P35S (CaMV)	GVP35S	OGM screening : 35S et NOS par PCR	13.2.ME.076	non	n/a	qualitatif	PCR
prni	Terminator T-NOS	GVTNOS	OGM screening : 35S et NOS par PCR	13.2.ME.076	non	n/a	qualitatif	PCR
prni	Maize Mon88017	GQ88017	OGM : détection quantitative par rt-PCR du maïs Mon88017	13.2.ME.087	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Soybean DP-356043-5	GQ356	OGM : Détection quantitative par rt-PCR du soja DP-356043-5	13.2.ME.090	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Soybean DP-305423-1	GQ305	OGM : détection quantitative par RT-PCR du soja DP-305423	13.2.ME.091	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize Mon89034	GQ89034	OGM : détection quantitative par RT-PCR du Maïs Mon89034	13.2.ME.095	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Maize LY038	GV038	OGM : détection qualitative du maïs LY038	13.2.ME.097	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	DNA : Beetroot (Beta vulgaris)	GVBeetroot	DNA from plants : Betterave	13.2.ME.098	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	GM Sugar beet H7-1	GQH7	OGM : détection quantitative par RT-PCR de la betterave H7-1	13.2.ME.098	oui	*	quantitatif	PCR
prni	Cotton GHB614	GV614	OGM : détection qualitative du Coton GHB614 par RT-PCR	13.2.ME.099	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Cotton LL25	GVLL25	OGM : détection qualitative du Coton LL25	13.2.ME.100	oui	n/a	qualitatif	PCR
prni	Maize Mon98140	GQ98140	OGM : détection quantitative par RT-PCR du Maïs Mon98140	13.2.ME.101	oui	*	quantitatif	PCR
duse	Hectolitre mass	HEGE	Poids à l'hectolitre	13.4.3.ME.001	NON	non déterminé	quantitatif	Gravimétrie
duse	Cystine	CYS	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Methionine	MET	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Histidine	HIS	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Serine	SER	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Arginine	ARG	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Glycine	GLY	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Aspartic acid	ASP	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Glutamic acid	GLU	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Threonine	THR	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Alanine	ALA	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Proline	PRO	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Lysine	LYS	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Tyrosine	TYR	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Valine	VAL	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Isoleucine	ILE	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Leucine	LEU	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Phenylalanine	PHE	Acides aminés totaux - aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Supplemented lysine	ZLYS	Supplemented amino acids	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Supplemented methionine	ZMET	Supplemented amino acids	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Supplemented threonine	ZTHR	Supplemented amino acids	13.4.ME.001	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse, dérivatisation, HPLC-DAD
duse	Acetic acid C2	P2	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NON	± 10.0%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Butyric acid C4	P4	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NON	± 10.0%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Propionic acid C3	P3	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NON	± 10.0%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Isobutyric acid C4 iso	P4I	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NON	± 10.0%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Isovaleric acid C5 iso	P5I	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NON	± 10.0%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Lactic acid (total)	P3OH	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NON	± 10.0%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Formic acid C1	P1	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NON	± 10.0%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Valeric acid C5	P5	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NON	± 10.0%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	2.3-Butandiol	C4DIOL	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NON	± 10.0%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Valeric acid C5	C5	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NON	± 3.2%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Formic acid C1	C1	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NON	± 2.2%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Acetic acid C2	C2	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NON	± 8.6%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Butyric acid C4	C4	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NON	± 9.4%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Isobutyric acid C4 iso	C4I	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NON	± 1.8%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Isovaleric acid C5 iso	C5I	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NON	± 3.6%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Lactic acid (total)	C3OH	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NON	± 7.8%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Ethanol	ETOH	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NON	± 11.2%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Propionic acid C3	C3	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NON	± 6.3%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	1,2-Propandiol	C3DIOL	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NON	± 10.0%	quantitatif	Extraction, HPLC-RI
duse	Phytase activity	PHYA	Détermination de l'activité phytasique par photométrie	13.4.ME.004	OUI	± 12.0%	quantitatif	spectrophotométrie
duse	Heptacosane	HC27	Détermination des alcanes par GC	13.4.ME.005	OUI	± 6.0%	quantitatif	Extraction, GC-FID
duse	Hexacosane	HC26	Détermination des alcanes par GC	13.4.ME.005	OUI	± 14.0%	quantitatif	Extraction, GC-FID
duse	Hexatriacontane	HC36	Détermination des alcanes par GC	13.4.ME.005	OUI	± 14.0%	quantitatif	Extraction, GC-FID
duse	Triacontane	HC30	Détermination des alcanes par GC	13.4.ME.005	OUI	± 6.0%	quantitatif	Extraction, GC-FID
duse	Nonacosane	HC29	Détermination des alcanes par GC	13.4.ME.005	OUI	± 6.0%	quantitatif	Extraction, GC-FID
duse	Pentatriacontane	HC35	Détermination des alcanes par GC	13.4.ME.005	OUI	± 6.0%	quantitatif	Extraction, GC-FID
duse	Hentriacontane	HC31	Détermination des alcanes par GC	13.4.ME.005	OUI	± 4.0%	quantitatif	Extraction, GC-FID
duse	Tritriacontane	HC33	Détermination des alcanes par GC	13.4.ME.005	OUI	± 4.0%	quantitatif	Extraction, GC-FID
duse	Dotriacontane	HC32	Détermination des alcanes par GC	13.4.ME.005	OUI	± 14.0%	quantitatif	Extraction, GC-FID
duse	Triatricontane	HC33	Détermination des alcanes par GC	13.4.ME.005	OUI	± 1.0%	quantitatif	Extraction, GC-FID
duse	Pentacosane	HC25	Détermination des alcanes par GC	13.4.ME.005	OUI	± 8.0%	quantitatif	Extraction, GC-FID
duse	Octacosane	HC28	Détermination des alcanes par GC	13.4.ME.005	OUI	± 12.0%	quantitatif	Extraction, GC-FID
duse	Diclazuril	DICL	Diclazuril	13.4.ME.008	OUI	± 16.2%	quantitatif	Extraction, dérivatisation, HPLC-DAD
drla	Nitrogen content	N	Azote Dumas facteur 1.00	13.4.ME.009	OUI	2 – 48 g/kg : ± 1.2 g/kg 49 – 160 g/kg : ± 2.8g/kg	quantitatif	Combustion, thermoconductivité
drla	Carbon	C	Carbon Dumas	13.4.ME.009	OUI	300 - 500 g/kg : ± 8.2 g/kg	quantitatif	Combustion, thermoconductivité
drla	Crude protein	RPG	Matière azotée Dumas facteur 5.70 (céréales)	13.4.ME.009	OUI	1 - 300 g/kg : 6.8 g/kg 300 - 1000 g/kg :16.0 g/kg	quantitatif	Combustion, thermoconductivité
drla	Crude protein	RP	Matière azotée Dumas facteur 6.25 (aliment)	13.4.ME.009	OUI	1 - 300 g/kg : 7.6 g/kg 300 - 1000 g/kg :17.6 g/kg	quantitatif	Combustion, thermoconductivité
drla	Crude protein	RPM	Matière azotée Dumas facteur 6.38 (lait)	13.4.ME.009	OUI	1 - 300 g/kg : 7.8 g/kg 300 - 1000 g/kg :17.8 g/kg	quantitatif	Combustion, thermoconductivité
drla	Sulfur	S	Sulfur Dumas	13.4.ME.009	OUI	± 1.4 g/kg	quantitatif	Combustion, infrarouge
duse	Fatty acids as triglycerides	RLGC	Graisse totale (Corps gras) par GC-FID	13.4.ME.011	OUI	± 10.0%	quantitatif	Extraction, GC-FID
duse	Fatty acids as triglycerides	RLGC	Graisse totale (Herbages et Aliments) par GC-FID	13.4.ME.011	OUI	± 10.0%	quantitatif	Extraction, GC-FID
duse	Lasalocid-Na	LASC	Lasalocide	13.4.ME.012	OUI	± 5.9%	quantitatif	Extraction, HPLC-DAD
duse	Narasin	NARC	Maduramycine, Monensine, Narasine, Salinomycine - aliments pour animaux	13.4.ME.014	OUI	± 12.0%	quantitatif	Extraction, HPLC-DAD
duse	Salinomycin-Na	SALC	Maduramycine, Monensine, Narasine, Salinomycine - aliments pour animaux	13.4.ME.014	OUI	± 13.0%	quantitatif	Extraction, HPLC-DAD
duse	Maduramicin-ammonium	MADU	Maduramycine, Monensine, Narasine, Salinomycine - aliments pour animaux	13.4.ME.014	OUI	± 12.0%	quantitatif	Extraction, HPLC-DAD
duse	Monensin-Na	MONC	Maduramycine, Monensine, Narasine, Salinomycine - aliments pour animaux	13.4.ME.014	OUI	± 11.0%	quantitatif	Extraction, HPLC-DAD

drla	Nitrogen content	NT	Azote Kjeldahl facteur 1.00	13.4.ME.015	OUI	0.8 - 48 g/kg : 6% 48 - 160 g/kg : 3.6%	quantitatif	Digestion acide, titration colorimetrique
drla	Crude protein	RPGT	Matière azotée Kjeldahl facteur 5.70 (céréales)	13.4.ME.015	OUI	5 - 300 g/kg : 6% 300 - 1000 g/kg : 3.6%	quantitatif	Digestion acide, titration colorimetrique
drla	Crude protein	RPT	Matière azotée Kjeldahl facteur 6.25 (aliment)	13.4.ME.015	OUI	5 - 300 g/kg : 6% 300 - 1000 g/kg : 3.6%	quantitatif	Digestion acide, titration colorimetrique
drla	Crude protein	RPMT	Matière azotée Kjeldahl facteur 6.38 (lait)	13.4.ME.015	OUI	5 - 300 g/kg : 6% 300 - 1000 g/kg : 3.6%	quantitatif	Digestion acide, titration colorimetrique
duse	Tocopherol (Vitamin E)	TOCO	Vitamin A and E	13.4.ME.018	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse-SolventLiquidExtraction HPLC DAD
duse	Retinol (Vitamin A)	RETI	Vitamin A and E	13.4.ME.018	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse-SolventLiquidExtraction HPLC DAD
duse	Vitamin E (all-rac-α-Tocopherol acetate)	TOCO	Vitamin A and E	13.4.ME.018	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse-SolventLiquidExtraction HPLC DAD
duse	Vitamin A (Retinol)	RETI	Vitamin A and E	13.4.ME.018	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse-SolventLiquidExtraction HPLC DAD
duse	Cholecalciferol (Vitamin D3)	D3	Vitamin D3	13.4.ME.018	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse-SolventLiquidExtraction HPLC 2D
duse	Vitamin D3 (Cholecalciferol)	D3	Vitamin D3	13.4.ME.018	OUI	± 10.0%	quantitatif	Hydrolyse-SolventLiquidExtraction HPLC DAD
duse	Nitrate	NO3	Détermination des nitrates par GC	13.4.ME.019	OUI	± 3.0%	quantitatif	Extraction, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:2 t9t11	C182t9t11	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 13.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:3 c9c12c15 ω3 + C20:1 ω11	C183c91215	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 2.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C17	C17	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 3.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C14:1 c9 ω5	C141c9	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 2.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:1	C201	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 3.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Saturated fatty acids	SAT	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 1.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Monounsaturated fatty acids	MONO	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 1.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20	C20	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 2.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:1	C221	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 8.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C12	C12	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C26	C26	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:1 c11 ω7	C181c11	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 3.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:2	C222	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C14	C14	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 1.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:6	C226	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 12.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C23	C23	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 12.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Polyunsaturated fatty acids	POLS	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 1.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C16:1 t3	C161t3	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 6.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:4	C184	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C15	C15	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 6.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18	C18	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 1.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:3 c8c11c14 ω6	C203c81114	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 8.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:3 c6c9c12 ω6	C183c6912	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 2.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:2 c9c12 ω6	C182c9c12	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 1.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:4	C224	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 10.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:2	C202	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 8.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C24	C24	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 4.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:3 ω3	C203	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 4.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C10	C10	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 10.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:5	C205	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 9.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:1 c9 ω9	C181c9	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 1.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C17:1 c10 ω7	C171c10	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 6.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C16:1 c9 ω7	C161c9	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 2.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:5	C225	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 6.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C24:1 c15	C241c15	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:3	C223	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22	C22	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 5.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C15:1 c	C151c10	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Fatty acids as triglycerides	RLGC	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 1.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C16	C16	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 1.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:4 ω6	C204	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 3.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Fatty acids unknown	AGNI	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 13.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C21	C21	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 16.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Total fatty acids	AGTOT	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Omega-6	Omega-6	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Omega-3	Omega-3	Profil des acides gras dans les herbages, les aliments par GC	13.4.ME.022	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Robenindin	ROBE	Robénidine	13.4.ME.025	OUI	± 14.0%	quantitatif	Extraction, HPLC-DAD
duse	Tryptophan	TRY	Tryptophane	13.4.ME.029	OUI	± 8.0%	quantitatif	Hydrolyse, HPLC-FLD
duse	1,2-Propandiol	PRDI	Propanediol par GC	13.4.ME.033	OUI	± 12.0%	quantitatif	Extraction, GC-FID
duse	β-Sitosterol	SITO	Stérols dans les aliments	13.4.ME.034	OUI	± 3.6%	quantitatif	Saponification, extraction, dérivatisation, GC-FID
duse	Stigmasterol	STIG	Stérols dans les aliments	13.4.ME.034	OUI	± 4.1%	quantitatif	Saponification, extraction, dérivatisation, GC-FID
duse	Cholesterol	CHST	Stérols dans les aliments	13.4.ME.034	OUI	± 4.5%	quantitatif	Saponification, extraction, dérivatisation, GC-FID
duse	Campesterol	CAMP	Stérols dans les aliments	13.4.ME.034	OUI	± 3.9%	quantitatif	Saponification, extraction, dérivatisation, GC-FID
duse	Stigmasterol	STIG	Stérols dans les graisses	13.4.ME.034	OUI	± 4.1%	quantitatif	Saponification, extraction, dérivatisation, GC-FID
duse	β-Sitosterol	SITO	Stérols dans les graisses	13.4.ME.034	OUI	± 3.6%	quantitatif	Saponification, extraction, dérivatisation, GC-FID
duse	Campesterol	CAMP	Stérols dans les graisses	13.4.ME.034	OUI	± 4.5%	quantitatif	Saponification, extraction, dérivatisation, GC-FID
duse	Cholesterol	CHST	Stérols dans les graisses	13.4.ME.034	OUI	± 4.5%	quantitatif	Saponification, extraction, dérivatisation, GC-FID
duse	Benzoic acid	BENZO	Détermination de l'acide benzoïque dans les aliments pour animaux	13.4.ME.037	OUI	LOQ-20 g/kg : ± 2.5% 20-500 g/kg : ± 6.5%	quantitatif	Extraction, HPLC_DAD
duse	Sorbic acid	SORBIC	Détermination de l'acide sorbique dans les aliments pour animaux - HPLC	13.4.ME.037	NON	± 20.0%	quantitatif	Extraction, HPLC_DAD
duse	Robenindin	ROBEMS	Coccidiostats	13.4.ME.038	OUI	± 4.8%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	Narasin	NARAMS	Coccidiostats	13.4.ME.038	OUI	± 5.5%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	Decoquinate	DECOMS	Coccidiostats	13.4.ME.038	OUI	± 6.6%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	Semduramicin-Na	SEMDMS	Coccidiostats	13.4.ME.038	OUI	± 12.1%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	Salinomycin-Na	SALCMS	Coccidiostats	13.4.ME.038	OUI	± 6.3%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	Diclazuril	DICLMS	Coccidiostats	13.4.ME.038	OUI	± 18.3%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	Halofuginone	HALOMS	Coccidiostats	13.4.ME.038	OUI	± 8.4%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	Monensin-Na	MONCMS	Coccidiostats	13.4.ME.038	OUI	± 7.5%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS

duse	Lasalocid-Na	LASCMS	Coccidiostats	13.4.ME.038	OUI	± 9.4%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	Maduramicin-ammonium	MADUMS	Coccidiostats	13.4.ME.038	OUI	± 10.9%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	Nicarbazin	NICAMS	Coccidiostats	13.4.ME.038	OUI	± 5.2%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	Screening Coccidiostats	COCCIMS_SC	Screening of coccidiostats	13.4.ME.038	OUI	n/a	qualitatif	Extraction, LC-MS/MS
drla	Gross energy	BE	Energie brute (Calorimétrie)	13.4.ME.039	OUI	± 6.4%	quantitatif	Calorimétrie
drla	Starch	ST	Amidon par polarimétrie	13.4.ME.041	OUI	SEP 1.6 g/kg	quantitatif	Extraction, polarimétrie
drla	Ammonia	NH3	Ammoniaque et pH	13.4.ME.042	OUI	SEP 1.0 g/kg	quantitatif	Voltamétrie
chma	Chromium(III) oxide	CROX	Chromoxid	13.4.ME.045	NON	± 5.4 g/kg	quantitatif	Minéralisation, ICP-OES
chma	Dry matter	TSL-NIR	Energie métabolisable volaille (NIRS)	13.4.ME.047	NON	SEP 2.6 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
drla	Crude Fibre	RF	Fibres brutes - Aliments pour animaux (Weender) - Fibretherm	13.4.ME.048	OUI	± 13.8%	quantitatif	Gravimétrie, Fiberbagtechnology
chma	Glucosinolates	GLSI-NIR	Gesamtglucosinolate in Raps (NIRS)	13.4.ME.049	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Dry matter	TSL-NIR	Gesamtglucosinolate in Raps (NIRS)	13.4.ME.049	NON	SEP 0.9 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
drla	Glucosinolates	GLSI	Glucosinolates totaux	13.4.ME.050	OUI	± 6.34%	quantitatif	Spectrophotométrie
drla	Crude fat	RLPS	Graisse brute - aliments pour animaux - selon Berntrop - Hydrolyse / extraction sous pression.	13.4.ME.051	OUI	10 – 100 g/kg : ± 16% 100 – 800 g/kg : ± 8%	quantitatif	Hydrolyse, extraction, gravimétrie
drla	Crude fat	RLT	Graisse brute (soxtherm - sans hydrolyse acide)	13.4.ME.052	OUI	1-500 g/kg : 11.5% 500-1000 g/kg : 4.0%	quantitatif	Extraction, gravimétrie
drla	Peroxide value	POZ	Indice de peroxyde selon Wheeler	13.4.ME.053	OUI	± 25.5%	quantitatif	Titrimétrie
drla	Lignina	ADL	Lignine par détergent acide	13.4.ME.055	OUI	10.0 – 99 g/kg : 30% 100 – 300 g/kg : 12%	quantitatif	Dissolution acide, gravimétrie, Fiberbagtechnology
chma	Cobalt	CO_2	Cobalt par ICP-OES	13.4.ME.057	OUI	± 19.3%	quantitatif	Minéralisation, ICP-OES
chma	Calcium	CA	Na,K,Ca,Mg,Fe,Mn,Cu,Zn,P par ICP-OES	13.4.ME.057	OUI	0.05 - 10 g/kg : 16.0% 10 - 30 g/kg : 8.5% 30 - 100 g/kg : 4.0% 100 - 600 g/kg : 3.0%	quantitatif	Minéralisation, ICP-OES
chma	Copper	CU	Na,K,Ca,Mg,Fe,Mn,Cu,Zn,P par ICP-OES	13.4.ME.057	OUI	0.002 - 0.03 g/kg : 28.0% 0.03 - 1.7 g/kg : 14.0% 1.7- 10 g/kg : 7.0% 10 - 250 g/kg : 4.0%	quantitatif	Minéralisation, ICP-OES
chma	Iron	FE	Na,K,Ca,Mg,Fe,Mn,Cu,Zn,P par ICP-OES	13.4.ME.057	OUI	0.002 - 0.2 g/kg : 14.0% 0.2 - 2 g/kg : 8.0% 2 - 20 g/kg : 4.0% 20 - 250 g/kg : 7.0%	quantitatif	Minéralisation, ICP-OES
chma	Potassium	K	Na,K,Ca,Mg,Fe,Mn,Cu,Zn,P par ICP-OES	13.4.ME.057	OUI	0.05 - 5 g/kg : 15.0% 5 - 10 g/kg : 11.0% 10 - 600 g/kg : 5.0%	quantitatif	Minéralisation, ICP-OES
chma	Magnesium	MG	Na,K,Ca,Mg,Fe,Mn,Cu,Zn,P par ICP-OES	13.4.ME.057	OUI	0.05 - 60 g/kg : 9.0% 60 - 600 g/kg : 3.0%	quantitatif	Minéralisation, ICP-OES
chma	Manganese	MN	Na,K,Ca,Mg,Fe,Mn,Cu,Zn,P par ICP-OES	13.4.ME.057	OUI	0.002 - 3 g/kg : 13.0% 3 - 35 g/kg : 5.5% 35 - 250 g/kg : 5.0%	quantitatif	Minéralisation, ICP-OES
chma	Sodium	NA	Na,K,Ca,Mg,Fe,Mn,Cu,Zn,P par ICP-OES	13.4.ME.057	OUI	0.05 - 10 g/kg : 8.0% 10 - 80 g/kg : 10.0% 80 - 600 g/kg : 3.0%	quantitatif	Minéralisation, ICP-OES
chma	Phosphorus	P	Na,K,Ca,Mg,Fe,Mn,Cu,Zn,P par ICP-OES	13.4.ME.057	OUI	0.05 - 4 g/kg : 9.5% 4 - 9 g/kg : 12.0% 9 - 40 g/kg : 6.0% 40 - 600 g/kg : 3.0%	quantitatif	Minéralisation, ICP-OES
chma	Zinc	ZN	Na,K,Ca,Mg,Fe,Mn,Cu,Zn,P par ICP-OES	13.4.ME.057	OUI	0.002 - 2 g/kg : 12.0% 2 - 15 g/kg : 6.5% 15 - 250 g/kg : 2.0%	quantitatif	Minéralisation, ICP-OES
chma	Scan Min	SCANMIN_OES	Scan ICP-OES	13.4.ME.057	OUI	n/a	qualitatif	Minéralisation, ICP-OES
chma	Crude Fibre	RF-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude protein	RP-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	SEP 2.0 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Dry matter	TSL-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	SEP 4.0 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Starch	ST-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Fibres insoluble in acidic detergents	ADF-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	SEP 6.0 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Fibres insoluble in neutral detergents	NDF-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Total sugar	ZUCK-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	SEP 4.1 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude fat	RLPS-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Water soluble carbohydrates	WSC-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude ash	RA-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Lignina	ADL-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Moisture	Moisture-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Dry matter	TSL-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Fibres insoluble in acidic detergents	ADF-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	SEP 6.1 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Fibres insoluble in neutral detergents	NDF-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Total sugar	ZUCK-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Starch	ST-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude protein	RP-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude Fibre	RF-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Ash	RA-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	SEP 1.5 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Fibres insoluble in neutral detergents	NDF-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Fibres insoluble in acidic detergents	ADF-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Water soluble carbohydrates	WSC-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Lignina	ADL-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude fat	RLPS-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	ELOS	ELOS-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Fibres insoluble in neutral detergents	NDF-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Water soluble carbohydrates	WSC-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Fibres insoluble in acidic detergents	ADF-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Ash	RA-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude protein	RP-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	SEP 5.7 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Lignina	ADL-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Total sugar	ZUCK-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Dry matter	TSL-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)

chma	Crude Fibre	RF-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude fat	RLPS-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Fibres insoluble in neutral detergents	NDF-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Dry matter	TSL-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Total sugar	ZUCK-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Fibres insoluble in acidic detergents	ADF-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude Fibre	RF-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Lignina	ADL-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Ash	RA-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude protein	RP-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Water soluble carbohydrates	WSC-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude fat	RLPS-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude Fibre	RF-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 1.0 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Dry matter	TSL-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 1.6 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Saturated fatty acids	SAT-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 0.2 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Ash	RA-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 1.0 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Fatty acids as triglycerides	RLGC-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 1.2 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Monounsaturated fatty acids	MONO-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 0.3 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude fat	RLPS-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 1.3 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Polyunsaturated fatty acids	POLS-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 0.7 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude protein	RP-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 1.0 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Iodine number	JZ-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	non déterminé	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Hectolitre mass	HEGE-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	non déterminé	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude protein	RP-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 1.2 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Monounsaturated fatty acids	MONO-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 0.3 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude fat	RLPS-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 0.5 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Fatty acids as triglycerides	RLGC-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 0.9 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Polyunsaturated fatty acids	POLS-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 0.5 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude Fibre	RF-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 1.0 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Dry matter	TSL-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 1.5 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Ash	RA-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	SEP 0.6 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Hectolitre mass	HEGE-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NON	non déterminé	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
drla	pH value	PH	pH dans les aliments pour animaux et solutions aqueuses	13.4.ME.060	OUI	± 2.0%	quantitatif	Voltamétrie
drla	Buffering power in plant	SBVP	Pouvoir tampon dans les végétaux	13.4.ME.061	NON	± 7.8%	quantitatif	Titrimétrie
chma	Fatty acids as triglycerides	RLGC-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude Fibre	RF-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Polyunsaturated fatty acids	PUFA-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude ash	RA-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Monounsaturated fatty acids (content)	MONO-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Dry matter	TSL-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Polyunsaturated fatty acids (content)	POLS-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Monounsaturated fatty acids	MUFA-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Saturated fatty acids (content)	SAT-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude protein	RP-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude fat	RLPS-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Saturated fatty acids	SFA-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Iodine number	JZ-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Hectolitre mass	HEGE-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	ω3 fatty acids	N3-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	ω6 fatty acids	N6-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Selenium	SE_2	Sélénium dans les aliments pour animaux par ICP-OES	13.4.ME.064	OUI	0.01 - 0.05 g/kg : 25.0% 0.05 - 0.3 g/kg : 15% 0.3 - 1 g/kg : 8.0% 1 - 15 g/kg : 10.0%	quantitatif	Minéralisation, ICP-OES
chma	Ytterbium	YB	Ytterbium dans les aliments pour animaux par ICP-OES	13.4.ME.066	NON	± 20.0%	quantitatif	Minéralisation, ICP-OES
chma	Dry matter	TSL	Matière sèche et cendres brutes - aliments pour animaux (solid) - gravimétrie	13.4.ME.067	OUI	0 - 700 g/kg : 9.7% 700 - 1000 g/kg : 1.2%	quantitatif	Thermogravimétrie
chma	Ash	RA	Matière sèche et cendres brutes - aliments pour animaux (solid) - gravimétrie	13.4.ME.067	OUI	0 - 100 g/kg : 10.1% 100.1 - 300 g/kg : 9.7% 300.1 - 1000 g/kg : 3.7%	quantitatif	Thermogravimétrie
chma	Crude ash	RA	Matière sèche et cendres brutes - aliments pour animaux (solid) - gravimétrie	13.4.ME.067	OUI	0 - 100 g/kg : 10.1% 100.1 - 300 g/kg : 9.7% 300.1 - 1000 g/kg : 3.7%	quantitatif	Thermogravimétrie
drla	Fibres insoluble in neutral detergents	NDF	Fibres insolubles dans les détergents neutres - Fibretherm Gerhard	13.4.ME.068	OUI	± 8.0%	quantitatif	Dissolution neutre, gravimétrie, Fiberbagtechnology
drla	Fibres insoluble in acidic detergents	ADF	Fibres insolubles dans les détergents acides - Fibretherm Gerhard	13.4.ME.069	OUI	± 10.0%	quantitatif	Dissolution acide, gravimétrie, Fiberbagtechnology
duse	Phytic phosphorus	PPHYT	Phosphore phytique	13.4.ME.070	NON	± 22.0%	quantitatif	Spectrophotométrie
chma	Crude ash	RA-NIR	Aliments pour animaux_NIRS	13.4.ME.071	NON	SEP 4.0 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude Fibre	RF-NIR	Aliments pour animaux_NIRS	13.4.ME.071	NON	SEP 4.7 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude protein	RP-NIR	Aliments pour animaux_NIRS	13.4.ME.071	NON	SEP 1.8 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude fat	RLBT-NIR	Aliments pour animaux_NIRS	13.4.ME.071	NON	SEP 1.5 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Ash unsoluble in HCl	RAU	Cendres insolubles dans l'acide chlorhydrique	13.4.ME.072	OUI	1 – 10 g/kg : ± 20.0% 10 – 100 g/kg : ± 4.7% 100 – 1000 g/kg : ± 0.8%	quantitatif	Dissolution des cendres, thermogravimétrie
drla	Water soluble carbohydrates	WSC	Sucres totaux soluble dans l'eau	13.4.ME.073	OUI	2 - 50 g/kg : 30.2% 51 - 150 g/kg : 9.0% 151 - 800 g/kg : 6.6%	quantitatif	Extraction, Spectrophotométrie
drla	Ethanol soluble carbohydrates	ESC	Sucres totaux solubles dans l'éthanol	13.4.ME.074	NON	± 6.6 g/kg	quantitatif	Extraction, Spectrophotométrie
chma	CYP2E1	CYP2E1	Détermination de l'activité du CYP2E1 dans le foie de porc	13.4.ME.075	NON	± 10.0%	quantitatif	Extraction, HPLC_DAD
chma	Ac. C17 aiso	A17	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
chma	Ac. C18:1 c9 ω9	C181c9	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
chma	Ac. C16:1 t3	C161t3	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:1 c11 ω7	C181c11	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C24	C24	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:3 ω3	C203	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID

duse	Ac. C18:3 c6c9c12 ω6	C183c6912	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C14	C14	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Σ Ac. C18:2 unknown	C182x	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:5	C225	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:1	C201	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C15	C15	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C19:1 c10 ω9	C191C10	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C17 iso	I17	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:2	C202	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Polyunsaturated fatty acids	POLS	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Saturated fatty acids	SAT	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:5	C205	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:4	C224	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C16:1 unknown	C161x1	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20	C20	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C12	C12	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C17:1 c10 ω7	C171c10	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C16	C16	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18 iso	I18	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C14:1 c9 ω5	C141c9	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:1	C221	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C16 iso	I16	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C16:1 c9 ω7	C161c9	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:2 c9c12 ω6	C182c9c12	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:2	C222	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Σ Ac. C18:1 unknown	C181x	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Fatty acids as triglycerides	RLGC	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18	C18	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:6	C226	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C17	C17	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Σ Ac. C20:2 unknown	C202x	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Σ Ac. C20:1 unknown	C201x	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:3	C223	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C26	C26	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22	C22	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C24:1 c15	C241c15	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Fatty acids unknown	AGNI	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:3 c9c12c15 ω3 + C20:1 ω11	C183c91215	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C10	C10	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:3 c8c11c14 ω6	C203c81114	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Monounsaturated fatty acids	MONO	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:4 ω6	C204	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Omega-6	Omega-6	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Saturated fatty acids-SFA	SFA	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Polyunsaturated fatty acids-PUFA	PUFA	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Total fatty acids	AGTOT	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Monounsaturated fatty acids-MUFA	MUFA	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
duse	Omega-3	Omega-3	Profil des acides gras dans les corps gras par GC	13.4.ME.077	OUI	± 15.0%	quantitatif	transestérification, dérivatisation, GC-FID
drla	Ammonium nitrogen	NH4N_F	Azote ammoniacal - fèces - colorimétrie selon Kjeldahl	13.4.ME.078	NON	± 11.0%	quantitatif	Digestion acide, titration colorimetrique
drla	Ammonium nitrogen	NH4N_U	Azote ammoniacal - urines - colorimétrie selon Kjeldahl	13.4.ME.078	NON	± 32.0%	quantitatif	Digestion acide, titration colorimetrique
chma	Crude fat	RLPS-NIR	Volaille (NIRS)	13.4.ME.079	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude protein	RP-NIR	Volaille (NIRS)	13.4.ME.079	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude Fibre	RF-NIR	Volaille (NIRS)	13.4.ME.079	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Dry matter	TSL-NIR	Volaille (NIRS)	13.4.ME.079	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Ash	RA-NIR	Volaille (NIRS)	13.4.ME.079	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Dry matter	TSLM	Matières sèche et cendre (manuel)	13.4.ME.081	OUI	± 2.4%	quantitatif	Thermogravimétrie
chma	Crude ash	RAM	Matières sèche et cendre (manuel)	13.4.ME.081	OUI	± 6.0%	quantitatif	Thermogravimétrie
chma	Lead	PB	ICP-MS Cd, Co, Pb and Se	13.4.ME.082	OUI	± 17.6%	quantitatif	Minéralisation, ICP-MS
chma	Cadmium	CD	ICP-MS Cd, Co, Pb and Se	13.4.ME.082	OUI	± 15.1%	quantitatif	Minéralisation, ICP-MS
chma	Cobalt	CO	ICP-MS Cd, Co, Pb and Se	13.4.ME.082	OUI	± 17.0%	quantitatif	Minéralisation, ICP-MS
chma	Molybdenum	MO	ICP-MS Cd, Co, Pb and Se	13.4.ME.082	OUI	± 20.0%	quantitatif	Minéralisation, ICP-MS
chma	Selenium	SE	ICP-MS Cd, Co, Pb and Se	13.4.ME.082	OUI	± 18.0%	quantitatif	Minéralisation, ICP-MS
chma	Scan Min	SCANMIN_MS	Scan ICP-MS	13.4.ME.082	OUI	n/a	qualitatif	Minéralisation, ICP-MS
duse	Iohexol	IOHEXO	Détermination du Iohexol par LC-MS/MS	13.4.ME.083	NON	± 20.0%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	1-Methylhistidine	1-MH	Détermination de 3-Methylhistidine et de 1-Methylhistidine dans les sérums	13.4.ME.084	NON	± 12.0%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	3-Methylhistidine	3-MH	Détermination de 3-Methylhistidine et de 1-Methylhistidine dans les sérums	13.4.ME.084	NON	± 7.0%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	Cortisol	CORTIMS	Détermination du cortisol dans l'urine, la salive et le sérum par LC-MS/MS et LC-HRMS	13.4.ME.085	NON	± 10.8%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	1-Methylhistidine	CORTIMS	Détermination du cortisol dans l'urine, la salive et le sérum par LC-MS/MS et LC-HRMS	13.4.ME.085	NON	± 20.0%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
drla	Chloride	CL	Chlorures - aliments pour animaux - titrimétrie	13.4.ME.086	OUI	± 3.4%	quantitatif	Titrimétrie
chma	Bismuth	BI	Bismuth par ICP-MS	13.4.ME.090	NON	non déterminé	quantitatif	Minéralisation, ICP-MS
chma	Crude Fibre	RF-NIR	Aliments pour animaux_NIR (accréditée)	13.4.ME.091	OUI	SEP 7.5 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude protein	RP-NIR	Aliments pour animaux_NIR (accréditée)	13.4.ME.091	OUI	SEP 9.2 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Dry matter	TSL-NIR	Aliments pour animaux_NIR (accréditée)	13.4.ME.091	OUI	SEP 4.5 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude fat	RLBT-NIR	Aliments pour animaux_NIR (accréditée)	13.4.ME.091	OUI	SEP 0.9 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Crude ash	RA-NIR	Aliments pour animaux_NIR (accréditée)	13.4.ME.091	OUI	SEP: 0.9 g/kg	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Soil impurities	EV	Impuretés terreuses	13.4.ME.092	NON	± 5.2%	quantitatif	décantation puis détermination gravimétrique
chma	Iodine number	JZ-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)

chma	Polyunsaturated fatty acids	PUFA-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Monounsaturated fatty acids	MUFA-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Dry matter	TSL-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Saturated fatty acids	SFA-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Fatty acids as triglycerides	RLGC-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	ω3 fatty acids	N3-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	ω6 fatty acids	N6-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	Linoleic acid	LA-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
chma	α-linolenic acid	aLA-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NON	sur demande	quantitatif	Spectrométrie dans le proche infra-rouge (NIR)
duse	Cannabidiol	CBD	Détermination des cannabinoïdes (CBDA-CBD-CBN-THC-THCA) par LC-MS/MS dans les aliments pour animaux et les huiles	13.4.ME.094	OUI	± 10.0%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	Cannabidiolic acid	CBDA	Détermination des cannabinoïdes (CBDA-CBD-CBN-THC-THCA) par LC-MS/MS dans les aliments pour animaux et les huiles	13.4.ME.094	OUI	± 10.0%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	Cannabinol	CBN	Détermination des cannabinoïdes (CBDA-CBD-CBN-THC-THCA) par LC-MS/MS dans les aliments pour animaux et les huiles	13.4.ME.094	OUI	± 10.0%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	delta-9-Tetrahydrocannabinol	THC	Détermination des cannabinoïdes (CBDA-CBD-CBN-THC-THCA) par LC-MS/MS dans les aliments pour animaux et les huiles	13.4.ME.094	OUI	± 10.0%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS
duse	delta-9-Tetrahydrocannabinolic acid	THCA	Détermination des cannabinoïdes (CBDA-CBD-CBN-THC-THCA) par LC-MS/MS dans les aliments pour animaux et les huiles	13.4.ME.094	OUI	± 10.0%	quantitatif	Extraction, LC-MS/MS