

# Liste der Analysemethoden

<b>Kontakt Personen :</b>	Leiterin der Kompetenzbereich Methodenentwicklung und Analytik	jucl	corinne.jud@agroscope.admin.ch
	Leiter der Forschungsgruppe Futtermittelchemie	duse	sebastien.dubois@agroscope.admin.ch
	Leiter der Forschungsgruppe Biologie der Futtermittel	prni	nicolas.pradervand@agroscope.admin.ch
	Teamleiter Mineralien	chma	marlyse.chatton@agroscope.admin.ch
	Teamleiter Protein und Nährstoffe	drfa	laurent.droux@agroscope.admin.ch
	Leiterin der NIRS Analysen	amsi	silvia.ampuero@agroscope.admin.ch

<b>Legenden</b>	* = die Messunsicherheit begleitet das Ergebnis F & H=Foin & Herbe / D & G=Dürrfutter & Grünfutter;	SEP = Standardfehler bei der Validierung (noch zu bestätigen, evolutionäres Modell) rel = relativ(v) & abs = absolu / absolut;	(1) = Zusammengesetztes Nahrungsmittel (2) = rel.: relativ. abs.: absolut
-----------------	--	---	--

<b>Anmerkung Phytase (f/d/e):</b>	(f) (2a) Eine Phytaseeinheit (U) entspricht der Enzymmenge, die 1 Mikromol anorganisches Phosphat pro Minute aus einer 5,0mM Phytatlösung unter den in ISO 30024 beschriebenen Reaktionsbedingungen (pH=5,5; 37°C.) freisetzt; (e) (2a) One unity of phytase (U) is the amount of enzyme which liberates 1 micromole of inorganic phosphate from phytate per minute under reaction conditions described in the ISO Norm 30024 with a phytate concentration of 5,0mM at pH 5,5 and 37°C. measured at 415nm.
-----------------------------------	---

<b>Abkürzungen GVO:</b>	(f) GQXXX : quantitativ analyse der GVO XXX (e) GVXXX : qualitative Analyse von GVO XXX
-------------------------	--

Leiter/-in	analyte	code	Name der Methode	Methodennummer (ME)	Akkreditiert (Bereich STS 0077)	Messunsicherheit	Resultate	Analysetechnik (Messprinzip)
prni	Botanical composition	MICZ	Futtermittel Zusammensetzung durch Mikroskopie	13.2.2.ME.001	JA	n/a	qualitativ	Mikroskopie
prni	Terrestrial vertebrate particles	MICT_L	Nachweis von Bestandteilen tierischen Ursprungs in Futtermitteln durch Mikroskopie	13.2.2.ME.002	JA	n/a	qualitativ	Mikroskopie
prni	Fish particles	MICT_F	Nachweis von Bestandteilen tierischen Ursprungs in Futtermitteln durch Mikroskopie	13.2.2.ME.002	JA	n/a	qualitativ	Mikroskopie
prni	Undesirable substances	MICK_U	Nachweis von kontaminierenden Organismen und Fragmenten durch Mikroskopie	13.2.2.ME.003	JA	n/a	qualitativ	Mikroskopie
prni	Botanical impurity	MICK_I	Nachweis von kontaminierenden Organismen und Fragmenten durch Mikroskopie	13.2.2.ME.003	JA	n/a	qualitativ	Mikroskopie
prni	Ambrosia	MICK_A	Nachweis von kontaminierenden Organismen und Fragmenten durch Mikroskopie	13.2.2.ME.003	JA	n/a	qualitativ	Mikroskopie
prni	Aflatoxins	AFEL	Aflatoxine B1, Elisa (Immunassay)	13.2.3.ME.001	NEIN	± 35%	semi-quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Deoxynivalenol	DOEL	Deoxynivalenol in Futtermittel, Elisa (Immunassay)	13.2.3.ME.002	JA	± 39,74%	semi-quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Toxins T-2 + HT-2	T2EL	T-2 Toxin in Getreide und Futtermittel, Elisa (Immunassay)	13.2.3.ME.003	NEIN	n/a	semi-quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Zearalenone	ZEEL	Zearalenon in Getreide und Futtermittel, Elisa (Immunassay)	13.2.3.ME.004	JA	± 28,86%	semi-quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Fumonisin B1	FUEL	Fumonisine B1 dans les aliments pour animaux par test ELISA	13.2.3.ME.005	NEIN	± 23%	semi-quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Ochratoxine A	OAEL	Ochratoxine A in Futtermittel, Elisa (Immunassay)	13.2.3.ME.006	NEIN	± 10,18%	semi-quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Colistin	COLS	Colistine qualitativ in Futtermittel, Bioanalyse	13.2.4.ME.001	NEIN	n/a	qualitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Chlortetracycline	CTC	CTC, OTC, TC in Futtermittel und Konzentrat, Agardiffusion	13.2.4.ME.002	NEIN	Konzentrate: 2,99%; gem. Lebensmittel: 14,87%	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Oxytetracycline	OTC	CTC, OTC, TC in Futtermittel und Konzentrat, Agardiffusion	13.2.4.ME.002	NEIN	Konzentrate: 2,99%; gem. Lebensmittel : 14,87%	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Tetracycline	TC	CTC, OTC, TC in Futtermittel und Konzentrat, Agardiffusion	13.2.4.ME.002	NEIN	Konzentrate: 2,99%; gem. Lebensmittel : 14,87%	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Colistin	COLM	Colistine quantitativ dans les aliments pour animaux et concentrés	13.2.4.ME.004	NEIN	n/a	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Screening antibiotics	ABSC	Antibiotika Screening: qualitative detektion von penicilline und tetracyclins in Futtermittel	13.2.4.ME.005	NEIN	n/a	qualitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Enterobacteriaceae	ENTE	Enterobacteriaceen, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.001	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Escherichia coli	ECOL	Escherichia coli dans les aliments liquides pour animaux	13.2.5.ME.002	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Water activity	AW	Escherichia coli in flüssigen Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	n/a	qualitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Aerobic mesophilic germs	BKZ	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Product typical bacteria	BKZ1	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Spoilage-indicating bacteria	BKZ2	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Streptomycetes	BKZ3	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Moulds	FKZ	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Moulds - DG18 Agar	FKZ	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Moulds - Phytone yeast Agar	FKZ	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Moulds - Rose Bengale Agar	FKZ	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Product typical moulds	FKZ4	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Spoilage-indicating moulds	FKZ5	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Mucorales	FKZ6	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Yeasts	HKZ	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Yeasts - DG18 Agar	HKZ	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Yeasts - Phytone yeast Agar	HKZ	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Yeasts - Rose Bengale Agar	HKZ	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Microbial quality	MIQUG	Mikrobiologische Qualität in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.5.ME.003	JA	n/a	qualitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	B.subtilis & B.licheniformis	BBKZ	Bacillus licheniformis et Bacillus subtilis (probiotisch) Auszählung in Futtermittel	13.2.6.ME.001	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Pediococcus acidilactici	PAKZ	Pediococcus acidilactici (probiotisch), Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.6.ME.002	NEIN	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Saccharomyces cerevisiae	HPKZ	Saccharomyces cerevisiae, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.6.ME.003	JA	0.3 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Enterococcus faecium	EKZ	Enterococcus faecium (probiotisch) Auszählung in Futtermittel, nach VDLUFA	13.2.6.ME.004	JA	0.5 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Lactobacillia	LAKZ	Lactobacillen in Futtermittel, Kultur (Gussplattenverfahren)	13.2.6.ME.006	NEIN	0.3 val log10	quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Saccharomyces cerevisiae	HEID	Saccharomyces cerevisiae, Qualitative PCR	13.2.6.ME.008	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Enterococcus faecium	ENTEID	Probiotika : Identifizierung von Enterococcus faecium und E. faecalis durch PCR	13.2.6.ME.009	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Soybean Mon87701	GQ87701	GVO : qualitative detektion von Mon87701 durch rt-PCR	13.2.7.ME.001	JA	*	quantitativ	PCR

Liste der Analysemethoden

prni	Soybean CV127	GQ127	GVO : qualitative detektion von Soja CV127 durch rt-PCR	13.2.7.ME.002	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Soybean Mon87705	GQ87705	GVO : qualitative detektion von Soja Mon87705 durch rt-PCR	13.2.7.ME.003	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Soybean Mon87769	GQ87769	GVO : qualitative detektion von Soja Mon87769 durch rt-PCR	13.2.7.ME.004	JA	*	quantitativ	PCR
prni	DNA : Soybean (Glycine max)	GVSoybean	GVO : qualitative detektion von GTS 40-3-2 (RR) durch rt-PCR	13.2.7.ME.005	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Soybean GTS40-3-2 (RR)	GQRR	GVO : qualitative detektion von GTS 40-3-2 (RR) durch rt-PCR	13.2.7.ME.005	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Soybean DAS-68416-4	GQ68416	Soja DAS-68416-4, quantitativ PCR	13.2.7.ME.006	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize DAS-40278-9	GQ40278	Mais DAS-40278-9, Qualitative PCR	13.2.7.ME.007	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Soybean Mon87708	GQ87708	Soja Mon87708, quantitativ PCR	13.2.7.ME.008	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize Mon87460	GQ87460	Mais Mon87460, quantitativ PCR	13.2.7.ME.009	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Soybean DAS-81419-2	GQ81419	Soja DAS-81419-2, quantitativ PCR	13.2.7.ME.010	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Rapeseed Mon88302	GQ88302	Raps Mon88302, quantitativ PCR	13.2.7.ME.011	JA	*	quantitativ	PCR
prni	DNA : Rapeseed (Brassica napus)	GVRapeseed	Raps DP-073496-4, quantitativ PCR	13.2.7.ME.012	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Rapeseed DP-073496-4	GQ73496	Raps DP-073496-4, quantitativ PCR	13.2.7.ME.012	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize 5307	GQ5307	Mais 5307, quantitativ PCR	13.2.7.ME.013	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize Mon87427	GQ87427	Mais Mon87427, Qualitative PCR	13.2.7.ME.014	JA	*	quantitativ	PCR
prni	DNA : Cotton (Gossypium)	GVCotton	DNA from plants : Cotton	13.2.7.ME.016	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Cotton GHB119	GQ119	DNA from plants : Cotton	13.2.7.ME.016	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Soybean DAS-44406-6	GQ44406	Soja DAS44406-6, Qualitative PCR	13.2.7.ME.017	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize VCO-01981-5	GQVCO	DNA from plants : Maize	13.2.7.ME.019	JA	*	quantitativ	PCR
prni	DNA : Maize (Zea mays)	GVMaize	DNA from plants : Maize	13.2.7.ME.019	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Rapeseed RF3	GQRF3	GVO : quantitativ detektion von Raps RF3 durch rt-PCR	13.2.7.ME.020	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Promoter p-FMV	GVPFMV	Promoter des Scroflora Mosaik Virus (SMPV), Qualitative PCR	13.2.7.ME.021	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Soybean FG72	GQFG72	Soja FG72, quantitativ PCR	13.2.7.ME.022	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize MON87403	GQ87403	Mais Mon87403, quantitativ PCR	13.2.7.ME.025	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Plant gen	GVLPLANTE	GVO : qualitativer Nachweis durch rt-PCR von PLANT (Screening)	13.2.7.ME.026	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Maize DP-4114-3	GQ4114	GVO : qualitativer Nachweis durch rt-PCR von Mais DP-4114-3	13.2.7.ME.027	JA	*	quantitativ	PCR
prni	DNA : Rice (Oryza)	GVRice	DNA from plants : Rice	13.2.7.ME.028	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Riz LLrice62	GQLL62	DNA from plants : Rice	13.2.7.ME.028	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize Mon87411	GQ87411	GVO : qualitativer Nachweis durch rt-PCR von Mon87411-Mais	13.2.7.ME.029	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Soybean Mon87751	/	GVO : quantitativ detektion von Soja Mon87751 durch rt-PCR	13.2.7.ME.030	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize MZHGOJG	/	GVO : quantitativ detektion von mais MZHGOJG durch rt-PCR	13.2.7.ME.031	JA	*	quantitativ	PCR
prni	DNA : Wheat (Triticum)	GVWheat	GVO : Qualitativer Nachweis von endogenem Weizen (Glutenin)	13.2.7.ME.036	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Rapeseed MS1	GVMS1	GVO : qualitative detektion von Raps MS1 durch rt-PCR	13.2.7.ME.037	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Rapeseed RF1	GVRF1	GVO : qualitative detektion von Raps RF1 durch rt-PCR	13.2.7.ME.038	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Rapeseed RF2	GVRF2	GVO : qualitative detektion von Raps RF2 durch rt-PCR	13.2.7.ME.039	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Rapeseed MS11	GVMS11	GVO : qualitative detektion von Raps MS11 durch rt-PCR	13.2.7.ME.040	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Promoter P35S (CaMV)	GVP35S	GVO: Qualitativer und quantitativer Nachweis des 35S-Promotors durch rt-PCR (Screening)	13.2.7.ME.048	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize DAS 59122-7	GQDAS	Mais DAS 59122-7, quantitativ PCR	13.2.7.ME.053	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Soybean A2704-12	GQA27	GVO : quantitativ detektion von Soja A2704-12 durch rt-PCR	13.2.7.ME.059	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Rapeseed Topas 19/2		GVO: quantitativ rt-PCR-Nachweis von Topas-Raps 19/2	13.2.7.ME.060	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Alfalfa J101	GVJ101	GVO : luzerne J101, qualitative PCR	13.2.7.ME.061	NEIN	n/a	qualitativ	PCR
prni	Alfalfa J163	GVJ163	GVO : luzerne J163, qualitative PCR	13.2.7.ME.062	NEIN	n/a	qualitativ	PCR
prni	Alfalfa KK179	GVKK179	GVO : luzerne KK179, qualitative PCR	13.2.7.ME.063	NEIN	n/a	qualitativ	PCR
prni	Terminator T-NOS	GVTNOS	OGM : Screening 35S/Nos nit RT-PCR	13.2.7.ME.065	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Soybean SYHT0H2		GVO: quantitativ Nachweis der Sojabohne SYHT0H2	13.2.7.ME.066	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Soybean GMB151		GVO: quantitativ rt-PCR-Nachweis der Sojabohne GMB151	13.2.7.ME.067	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Soybean GTS40-3-2 (RR)	GQRR	OGM : detection quantitativ par ddPCR du soja GTS 40-3-2 (RR)	13.2.7.ME.069	NEIN	*	quantitativ	PCR
prni	DNA origin animal	TBSC	Tierische-DNS, Qualitative PCR	13.2.8.ME.002	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	DNA : Fish	TBFI	Knochenfische-DNS, Qualitative PCR	13.2.8.ME.003	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	DNA : Beef	TBBV	Rinder-DNS, Qualitative PCR	13.2.8.ME.004	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	DNA : Swine	TBPI	Schweine-DNS, Qualitative PCR	13.2.8.ME.005	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	DNA : Poultry	TBPL	Hühner-DNS, Qualitative PCR	13.2.8.ME.006	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	DNA : Human	TBHU	DNA tierischen Ursprungs: Qualitativer Nachweis des Menschen	13.2.8.ME.007	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	DNA : Horse	TBCV	Pferd-DNS, Qualitative PCR	13.2.8.ME.008	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	DNA : Ruminant	TBRUM	tierische DNA : Wiederkäuer	13.2.8.ME.009	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Apis mellifera	FBV_AM	Qualitativer Nachweis der Europäischen und Amerikanischen Faulbrut	13.2.9.ME.004	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Melissoctococcus plutonius	FBV_MP	Qualitativer Nachweis der Europäischen und Amerikanischen Faulbrut	13.2.9.ME.004	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Paenibacillus larvae	FBV_PL	Qualitativer Nachweis der Europäischen und Amerikanischen Faulbrut	13.2.9.ME.004	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	CaMV (Cauliflower Mosaic Virus)	GVCAM	Qualitative detektion von CAMV Viren durch PCR	13.2.ME.020	NEIN	n/a	qualitativ	PCR
prni	Melamin	MEEL	Melamin in Futtermittel, Elisa (Immunassay)	13.2.ME.029	NEIN	n/a	semi-quantitativ	Klassische Mikrobiologie
prni	Rapeseed MS8	GQMS8	GVO : quantitativ detektion von Raps MS8 durch rt-PCR	13.2.ME.034	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Rapeseed T45		GVO : quantitativ detektion von Raps T45 durch rt-PCR	13.2.ME.037	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize Starlink	GSTA	GVO: Qualitativer Nachweis von Starlink-Mais	13.2.ME.046	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Maize T25	GQ25	Mais T25, quantitativ PCR	13.2.ME.050	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Rapeseed GT73	GQ73	Raps GT73, quantitativ PCR	13.2.ME.051	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize 3272	GQ3272	Mais 3272, quantitativ PCR	13.2.ME.052	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize GA21	GQ21	Mais GA21, quantitativ PCR	13.2.ME.054	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize Mir162	GQ162	Mais Mir162, quantitativ PCR	13.2.ME.055	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize Mir604	GQMir	Mais Mir604, quantitativ PCR	13.2.ME.056	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize NK603	GQNK	Mais NK603, quantitativ PCR	13.2.ME.057	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize TC1507	GQHX	Mais TC1507 (hercules), Qualitative PCR	13.2.ME.058	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Soybean A5547-127	GQA55	GVO : quantitativ detektion von Soja A5547-127 durch rt-PCR	13.2.ME.060	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Soybean Mon89788	GQ897	Soja Mon89788, quantitativ PCR	13.2.ME.061	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize MON863	GQ863	Mais Mon863, quantitativ PCR	13.2.ME.062	JA	*	quantitativ	PCR
prni	DNA : Potato (Solanum tuberosum)	GVPotato	DNA from plants : Potato	13.2.ME.063	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Potato EH92-527-1	GV92	GVO : quantitativ detektion von Kartoffel EH92-527-1 durch rt-PCR	13.2.ME.063	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Rapeseed OXY-235	GVOXY	GVO: Qualitativer Nachweis von OXY-235-Ölraps	13.2.ME.066	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Herbicide resistance bar gene	GVBAR	Genplex cp2-cp4epsps, bar und pat, Qualitative PCR	13.2.ME.067	JA	n/a	qualitativ	PCR

Liste der Analysemethoden

prni	Herbicide resistance gene ctp2-cp4-epsps	GVCTP	Gentriplex ctp2-cp4epsps, bar und pat. Qualitative PCR	13.2.ME.067	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Herbicide resistance pat gene	GVPAT	Gentriplex ctp2-cp4epsps, bar und pat. Qualitative PCR	13.2.ME.067	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Maize BT10	GV10	GVO: Qualitativer Nachweis von BT10-Mais	13.2.ME.068	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Maize BT11	GQ11	Mais BT11, quantitativ PCR	13.2.ME.071	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize MON810	GQ81	Mais Mon810, quantitativ PCR	13.2.ME.072	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize BT176	GQ17	Mais BT176, quantitativ PCR	13.2.ME.073	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Promoter P35S (CaMV)	GVP35S	OGM screening : 35S und NOS mit PCR	13.2.ME.076	NEIN	n/a	qualitativ	PCR
prni	Terminator T-NOS	GVTNOS	OGM screening : 35S und NOS mit PCR	13.2.ME.076	NEIN	n/a	qualitativ	PCR
prni	Maize Mon88017	GQ88017	Mais Mon88017, quantitativ PCR	13.2.ME.087	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Soybean DP-356043-5	GQ356	GVO : quantitativ detektion von Soja DP-356043-5 durch rt-PCR	13.2.ME.090	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Soybean DP-305423-1	GQ305	Soja DP-305423, quantitativ PCR	13.2.ME.091	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize Mon89034	GQ89034	Mais Mon89034, quantitativ PCR	13.2.ME.095	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Maize LY038	GV038	Mais LY038, Qualitative PCR	13.2.ME.097	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	DNA : Beetroot (Beta vulgaris)	GVBeetroot	DNA from plants : Betterave	13.2.ME.098	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	GM Sugar beet H7-1	GQH7	Rande H7-1, quantitativ PCR	13.2.ME.098	JA	*	quantitativ	PCR
prni	Cotton GHB614	GV614	Baumwolle GHB614 par RT-PCR, Qualitative PCR	13.2.ME.099	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Cotton LL25	GVL25	Baumwolle LL25, Qualitative PCR	13.2.ME.100	JA	n/a	qualitativ	PCR
prni	Maize Mon98140	GQ98140	Mais Mon98140, quantitativ PCR	13.2.ME.101	JA	*	quantitativ	PCR
duse	Hectolitre mass	HEGE	Hektolitergewicht, Gravimetrie	13.4.3.ME.001	NEIN	nicht bestimmt	quantitativ	Gravimetrie
duse	Cystine	CYS	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Methionine	MET	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Histidine	HIS	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Serine	SER	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Arginine	ARG	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Glycine	GLY	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Aspartic acid	ASP	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Glutamic acid	GLU	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Threonine	THR	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Alanine	ALA	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Proline	PRO	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Lysine	LYS	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Tyrosine	TYR	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Valine	VAL	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Isoleucine	ILE	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Leucine	LEU	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Phenylalanine	PHE	Aminosäuren in Futtermittel, Hydrolyse, Derivatisierung HPLC-DAD	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Supplemented lysine	ZLYS	Supplemented amino acids	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Supplemented methionine	ZMET	Supplemented amino acids	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Supplemented threonine	ZTHR	Supplemented amino acids	13.4.ME.001	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse, Derivatisierung, HPLC-DAD
duse	Acetic acid C2	P2	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NEIN	± 10.0%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Butyric acid C4	P4	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NEIN	± 10.0%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Propionic acid C3	P3	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NEIN	± 10.0%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Isobutyric acid C4 iso	P4I	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NEIN	± 10.0%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Isovaleric acid C5 iso	P5I	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NEIN	± 10.0%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Lactic acid (total)	P3OH	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NEIN	± 10.0%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Formic acid C1	P1	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NEIN	± 10.0%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Valeric acid C5	P5	Volatile fatty acids - Rumen	13.4.ME.002	NEIN	± 10.0%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	2,3-Butandiol	C4DIOL	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NEIN	± 10.0%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Valeric acid C5	C5	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NEIN	± 3.2%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Formic acid C1	C1	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NEIN	± 2.2%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Acetic acid C2	C2	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NEIN	± 8.6%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Butyric acid C4	C4	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NEIN	± 9.4%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Isobutyric acid C4 iso	C4I	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NEIN	± 1.8%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Isovaleric acid C5 iso	C5I	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NEIN	± 3.6%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Lactic acid (total)	C3OH	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NEIN	± 7.8%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Ethanol	ETOH	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NEIN	± 11.2%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Propionic acid C3	C3	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NEIN	± 6.3%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	1,2-Propanediol	C3DIOL	Volatile fatty acids - Silage	13.4.ME.003	NEIN	± 10.0%	quantitativ	Extraktion, HPLC-RI
duse	Phytase activity	PHYA	Phytaseaktivität in Futtermittel, Enzymatische Reaktion, Fotometrie	13.4.ME.004	JA	± 12.0%	quantitativ	Spektrophotometrie
duse	Heptacosane	HC27	Alkane in Futtermittel, Extraktion, GC-FID	13.4.ME.005	JA	± 6.0%	quantitativ	Extraktion, GC-FID
duse	Hexacosane	HC26	Alkane in Futtermittel, Extraktion, GC-FID	13.4.ME.005	JA	± 14.0%	quantitativ	Extraktion, GC-FID
duse	Hexatriacontane	HC36	Alkane in Futtermittel, Extraktion, GC-FID	13.4.ME.005	JA	± 14.0%	quantitativ	Extraktion, GC-FID
duse	Triacontane	HC30	Alkane in Futtermittel, Extraktion, GC-FID	13.4.ME.005	JA	± 6.0%	quantitativ	Extraktion, GC-FID
duse	Nonacosane	HC29	Alkane in Futtermittel, Extraktion, GC-FID	13.4.ME.005	JA	± 6.0%	quantitativ	Extraktion, GC-FID
duse	Pentatriacontane	HC35	Alkane in Futtermittel, Extraktion, GC-FID	13.4.ME.005	JA	± 6.0%	quantitativ	Extraktion, GC-FID
duse	Hentriacontane	HC31	Alkane in Futtermittel, Extraktion, GC-FID	13.4.ME.005	JA	± 4.0%	quantitativ	Extraktion, GC-FID
duse	Tritriacontane	HC33	Alkane in Futtermittel, Extraktion, GC-FID	13.4.ME.005	JA	± 4.0%	quantitativ	Extraktion, GC-FID
duse	Dotriacontane	HC32	Alkane in Futtermittel, Extraktion, GC-FID	13.4.ME.005	JA	± 14.0%	quantitativ	Extraktion, GC-FID
duse	Tetracontane	HC33	Alkane in Futtermittel, Extraktion, GC-FID	13.4.ME.005	JA	± 1.0%	quantitativ	Extraktion, GC-FID
duse	Pentacosane	HC25	Alkane in Futtermittel, Extraktion, GC-FID	13.4.ME.005	JA	± 8.0%	quantitativ	Extraktion, GC-FID
duse	Octacosane	HC28	Alkane in Futtermittel, Extraktion, GC-FID	13.4.ME.005	JA	± 12.0%	quantitativ	Extraktion, GC-FID
duse	Diclazuril	DICL	Diclazuril	13.4.ME.008	JA	± 16.2%	quantitativ	Extraktion, Derivatisierung, HPLC-DAD
drfa	Nitrogen content	N	Elementaranalyse C,N,S in Futtermittel, DUMAS	13.4.ME.009	JA	2 - 48 g/kg : ± 1.2 g/kg 49 - 160 g/kg : ± 2.8g/kg	quantitativ	Verbrennung, thermische Leitfähigkeit
drfa	Carbon	C	Carbon Dumas	13.4.ME.009	JA	300 - 500 g/kg : ± 8.2 g/kg	quantitativ	Verbrennung, thermische Leitfähigkeit
drfa	Crude protein	RPG	Elementaranalyse C,N,S in Futtermittel, DUMAS Faktor 5.70 (Getreide)	13.4.ME.009	JA	1 - 300 g/kg : 6.8 g/kg 300 - 1000 g/kg : 16.0 g/kg	quantitativ	Verbrennung, thermische Leitfähigkeit
drfa	Crude protein	RP	Elementaranalyse C,N,S in Futtermittel, DUMAS Faktor 6.25 (Nahrungsmittel)	13.4.ME.009	JA	1 - 300 g/kg : 7.6 g/kg 300 - 1000 g/kg : 17.6 g/kg	quantitativ	Verbrennung, thermische Leitfähigkeit
drfa	Crude protein	RPM	Elementaranalyse C,N,S in Futtermittel, DUMAS Faktor 6.38 (Milch)	13.4.ME.009	JA	1 - 300 g/kg : 7.8 g/kg 300 - 1000 g/kg : 17.8 g/kg	quantitativ	Verbrennung, thermische Leitfähigkeit
drfa	Sulfur	S	Elementaranalyse C,N,S in Futtermittel, DUMAS	13.4.ME.009	JA	± 1.4 g/kg	quantitativ	Verbrennung, Infrarot
duse	Fatty acids as triglycerides	RLGC	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.011	JA	± 10.0%	quantitativ	Extraktion, GC-FID
duse	Fatty acids as triglycerides	RLGC	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.011	JA	± 10.0%	quantitativ	Extraktion, GC-FID
duse	Lasalocid-Na	LASC	Lasalocid	13.4.ME.012	JA	± 5.9%	quantitativ	Extraktion, HPLC-DAD
duse	Narasin	NARC	Maduramycin, Monensin, Narasin, Salinomycin in Futtermittel, Extraktion, HPLC-DAD	13.4.ME.014	JA	± 12.0%	quantitativ	Extraktion, HPLC-DAD
duse	Salinomycin-Na	SALC	Maduramycin, Monensin, Narasin, Salinomycin in Futtermittel, Extraktion, HPLC-DAD	13.4.ME.014	JA	± 13.0%	quantitativ	Extraktion, HPLC-DAD

Liste der Analysemethoden

duse	Maduramicin-ammonium	MADU	Maduramyacin, Monensin, Narasin, Salinomycin in Futtermittel, Extraktion, HPLC-DAD	13.4.ME.014	JA	± 12.0%	quantitativ	Extraction, HPLC-DAD
duse	Monensin-Na	MONC	Maduramyacin, Monensin, Narasin, Salinomycin in Futtermittel, Extraktion, HPLC-DAD	13.4.ME.014	JA	± 11.0%	quantitativ	Extraction, HPLC-DAD
dria	Nitrogen content	NT	Rohprotein in Futtermittel, Aufschluss, Kolorimetrie nach KJELDAHL	13.4.ME.015	JA	0.8 - 48 g/kg : 6% 48 - 160 g/kg : 3.6%	quantitativ	Säureaufschluss, kolorimetrische Titration
dria	Crude protein	RPGT	Rohprotein in Futtermittel, Aufschluss, Kolorimetrie nach KJELDAHL Faktor 5.70 (Getreide)	13.4.ME.015	JA	5 - 300 g/kg : 6% 300 - 1000 g/kg : 3.6%	quantitativ	Säureaufschluss, kolorimetrische Titration
dria	Crude protein	RPT	Rohprotein in Futtermittel, Aufschluss, Kolorimetrie nach KJELDAHL Faktor 6.25 (Nahrungsmittel)	13.4.ME.015	JA	5 - 300 g/kg : 6% 300 - 1000 g/kg : 3.6%	quantitativ	Säureaufschluss, kolorimetrische Titration
dria	Crude protein	RPMT	Rohprotein in Futtermittel, Aufschluss, Kolorimetrie nach KJELDAHL Faktor 6.38 (Milch)	13.4.ME.015	JA	5 - 300 g/kg : 6% 300 - 1000 g/kg : 3.6%	quantitativ	Säureaufschluss, kolorimetrische Titration
duse	Tocopherol (Vitamin E)	TOCO	Vitamine A, E und D3, Verseifung, Extraktion, HPLC-DAD	13.4.ME.018	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse-SolventLiquidExtraction HPLC DAD
duse	Retinol (Vitamin A)	RETI	Vitamine A, E und D3, Verseifung, Extraktion, HPLC-DAD	13.4.ME.018	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse-SolventLiquidExtraction HPLC DAD
duse	Vitamin E (all-rac-α-Tocopherol acetate)	TOCO	Vitamine A, E und D3, Verseifung, Extraktion, HPLC-DAD	13.4.ME.018	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse-SolventLiquidExtraction HPLC DAD
duse	Vitamin A (Retinol)	RETI	Vitamine A, E und D3, Verseifung, Extraktion, HPLC-DAD	13.4.ME.018	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse-SolventLiquidExtraction HPLC DAD
duse	Cholecalciferol (Vitamin D3)	D3	Vitamine A, E und D3, Verseifung, Extraktion, HPLC-DAD	13.4.ME.018	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse-SolventLiquidExtraction HPLC 2D
duse	Vitamin D3 (Cholecalciferol)	D3	Vitamine A, E und D3, Verseifung, Extraktion, HPLC-DAD	13.4.ME.018	JA	± 10.0%	quantitativ	Hydrolyse-SolventLiquidExtraction HPLC DAD
duse	Nitrate	NO3	Alkane in Futtermittel, Extraktion, GC-FID	13.4.ME.019	JA	± 3.0%	quantitativ	Extraction, derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:2 t9t11	C182t9t11	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 13.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:3 c9c12c15 ω3 + C20:1 ω11	C183c9c12c15	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 2.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C17	C17	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 3.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C14:1 c9 ω5	C141c9	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 2.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:1	C201	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 3.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Saturated fatty acids	SAT	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 1.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Monounsaturated fatty acids	MONO	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 1.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20	C20	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 2.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:1	C221	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 8.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C12	C12	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C26	C26	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:1 c11 ω7	C181c11	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 3.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:2	C222	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C14	C14	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 1.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:6	C226	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 12.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C23	C23	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 12.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Polyunsaturated fatty acids	POLS	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 1.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C16:1 i3	C161i3	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 6.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:4	C184	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C15	C15	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 6.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18	C18	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 1.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:3 c8c11c14 ω6	C203c8c11c14	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 8.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:3 c6c9c12 ω6	C183c6c9c12	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 2.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:2 c9c12 ω6	C182c9c12	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 1.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:4	C224	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 10.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:2	C202	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 8.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C24	C24	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 4.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:3 ω3	C203	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 4.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C10	C10	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 10.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:5	C205	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 9.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C18:1 c9 ω9	C181c9	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 1.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C17:1 c10 ω7	C171c10	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 6.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C16:1 c9 ω7	C161c9	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 2.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:5	C225	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 6.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C24:1 c15	C241c15	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22:3	C223	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C22	C22	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 5.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C15:1 c	C151c10	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Fatty acids as triglycerides	RLGC	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 1.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C16	C16	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 1.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C20:4 ω6	C204	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 3.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Fatty acids unknown	AGNI	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 13.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Ac. C21	C21	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 16.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Total fatty acids	AGTOT	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Omega-6	Omega-6	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Omega-3	Omega-3	Fettsäuren in Futtermittel, Veresterung, Derivatisation, GC-FID	13.4.ME.022	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisation, GC-FID
duse	Robenidin	ROBE	Robenidin-HCl in Futtermittel, Extraktion, HPLC-DAD	13.4.ME.025	JA	± 14.0%	quantitativ	Extraction, HPLC-DAD
duse	Tryptophan	TRY	Tryptophane	13.4.ME.029	JA	± 8.0%	quantitativ	Hydrolyse, HPLC-FLD
duse	1,2-Propanediol	PRDI	Propanediol mit GC	13.4.ME.033	JA	± 12.0%	quantitativ	Extraktion, GC-FID
duse	β-Sitosterol	SITO	Cholesterin, Campesterin, Stigmasterin und beta-Sitosterin in Futtermittel, Verseifung, GC-FID	13.4.ME.034	JA	± 3.6%	quantitativ	Verseifung, Extraktion, Derivatisation, GC-FID
duse	Stigmasterol	STIG	Cholesterin, Campesterin, Stigmasterin und beta-Sitosterin in Futtermittel, Verseifung, GC-FID	13.4.ME.034	JA	± 4.1%	quantitativ	Verseifung, Extraktion, Derivatisation, GC-FID
duse	Cholesterol	CHST	Cholesterin, Campesterin, Stigmasterin und beta-Sitosterin in Futtermittel, Verseifung, GC-FID	13.4.ME.034	JA	± 4.5%	quantitativ	Verseifung, Extraktion, Derivatisation, GC-FID
duse	Campesterol	CAMP	Cholesterin, Campesterin, Stigmasterin und beta-Sitosterin in Futtermittel, Verseifung, GC-FID	13.4.ME.034	JA	± 3.9%	quantitativ	Verseifung, Extraktion, Derivatisation, GC-FID
duse	Stigmasterol	STIG	Cholesterin, Campesterin, Stigmasterin und beta-Sitosterin in Futtermittel, Verseifung, GC-FID	13.4.ME.034	JA	± 4.1%	quantitativ	Verseifung, Extraktion, Derivatisation, GC-FID



Liste der Analysemethoden

duse	β-Sitosterol	SITO	Cholesterin, Campesterin, Stigmasterin und beta-Sitosterin in Futtermittel, Verseifung, GC-FID	13.4.ME.034	JA	± 3.6%	quantitativ	Verseifung, Extraktion, Derivatisierung, GC-FID
duse	Campesterol	CAMP	Cholesterin, Campesterin, Stigmasterin und beta-Sitosterin in Futtermittel, Verseifung, GC-FID	13.4.ME.034	JA	± 4.5%	quantitativ	Verseifung, Extraktion, Derivatisierung, GC-FID
duse	Cholesterol	CHST	Cholesterin, Campesterin, Stigmasterin und beta-Sitosterin in Futtermittel, Verseifung, GC-FID	13.4.ME.034	JA	± 4.5%	quantitativ	Verseifung, Extraktion, Derivatisierung, GC-FID
duse	Benzoic acid	BENZO	Benzenoesaure in Futtermittel, Extraktion, HPLC-DAD	13.4.ME.037	JA	LOQ-20 g/kg : ± 2.5% 20-500 g/kg : ± 6.5%	quantitativ	Extraktion, HPLC_DAD
duse	Sorbic acid	SORBIC	Benzenoesaure in Futtermittel, Extraktion, HPLC-DAD	13.4.ME.037	NEIN	± 20.0%	quantitativ	Extraktion, HPLC_DAD
duse	Robenindin	ROBEMS	Kokkidiostatika in Futtermittel, Extraktion, LC-MS/MS	13.4.ME.038	JA	± 4.8%	quantitativ	Extraktion, LC-MS/MS
duse	Narasin	NARAMS	Kokkidiostatika in Futtermittel, Extraktion, LC-MS/MS	13.4.ME.038	JA	± 5.5%	quantitativ	Extraktion, LC-MS/MS
duse	Decoquinat	DECOMS	Kokkidiostatika in Futtermittel, Extraktion, LC-MS/MS	13.4.ME.038	JA	± 6.6%	quantitativ	Extraktion, LC-MS/MS
duse	Semduramicin-Na	SEMDMS	Kokkidiostatika in Futtermittel, Extraktion, LC-MS/MS	13.4.ME.038	JA	± 12.1%	quantitativ	Extraktion, LC-MS/MS
duse	Salinomycin-Na	SALCMS	Kokkidiostatika in Futtermittel, Extraktion, LC-MS/MS	13.4.ME.038	JA	± 6.3%	quantitativ	Extraktion, LC-MS/MS
duse	Diclazuril	DICLMS	Kokkidiostatika in Futtermittel, Extraktion, LC-MS/MS	13.4.ME.038	JA	± 18.3%	quantitativ	Extraktion, LC-MS/MS
duse	Halofuginone	HALOMS	Kokkidiostatika in Futtermittel, Extraktion, LC-MS/MS	13.4.ME.038	JA	± 8.4%	quantitativ	Extraktion, LC-MS/MS
duse	Monensin-Na	MONCMS	Kokkidiostatika in Futtermittel, Extraktion, LC-MS/MS	13.4.ME.038	JA	± 7.5%	quantitativ	Extraktion, LC-MS/MS
duse	Lasalocid-Na	LASCMS	Kokkidiostatika in Futtermittel, Extraktion, LC-MS/MS	13.4.ME.038	JA	± 9.4%	quantitativ	Extraktion, LC-MS/MS
duse	Maduramicin-ammonium	MADUMS	Kokkidiostatika in Futtermittel, Extraktion, LC-MS/MS	13.4.ME.038	JA	± 10.9%	quantitativ	Extraktion, LC-MS/MS
duse	Nicarbazin	NICAMS	Kokkidiostatika in Futtermittel, Extraktion, LC-MS/MS	13.4.ME.038	JA	± 5.2%	quantitativ	Extraktion, LC-MS/MS
duse	Screening Coccidiostats	COCCIMS_SC	Screening of coccidiostats	13.4.ME.038	JA	n/a	qualitativ	Extraktion, LC-MS/MS
drfa	Gross energy	BE	Bruttoenergie in Futtermittel, Kalorimetrie	13.4.ME.039	JA	± 6.4%	quantitativ	Calorimetrie
drfa	Starch	ST	Stärke in Futtermittel, Extraktion, Polarimetrie	13.4.ME.041	JA	SEP 1.6 g/kg	quantitativ	Extraktion, polarimetrie
drfa	Ammonia	NH3	Ammoniak und pH in Silagen, Extraktion, Titrimetrie, Potentiometrie	13.4.ME.042	JA	SEP 1.0 g/kg	quantitativ	Vollametrie
chma	Chromium(III) oxide	CROX	Chromoxid	13.4.ME.045	NEIN	± 5.4 g/kg	quantitativ	Mineralisierung, ICP-OES
amsi	Dry matter	TSL-NIR	Metabolisierbare Energie Geflügel (NIRS)	13.4.ME.047	NEIN	SEP 2.6 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
drfa	Crude Fibre	RF	Rohfaser in Futtermittel, Gravimetrie nach Van Soest	13.4.ME.048	JA	± 13.8%	quantitativ	Gravimetrie, Fiberbagtechnology
amsi	Glucosinolates	GLSI-NIR	Gesamtglucosinolate in Raps (NIRS)	13.4.ME.049	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Dry matter	TSL-NIR	Gesamtglucosinolate in Raps (NIRS)	13.4.ME.049	NEIN	SEP 0.9 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
drfa	Glucosinolates	GLSI	Glucosinolate in Futtermittel, Enzymatische Reaktion, Fotometrie	13.4.ME.050	JA	± 6.34%	quantitativ	Spektrophotometrie
drfa	Crude fat	RLPS	Rohfett in Futtermittel, Hydrolyse, Extraktion, nach BERNTRÖP	13.4.ME.051	JA	10 – 100 g/kg : ± 16% 100 – 800 g/kg : ± 8%	quantitativ	Hydrolyse, extraction, Gravimetrie
drfa	Crude fat	RLT	Rohfett in Fettgewebe, Extraktion, Gravimetrie	13.4.ME.052	JA	1-500 g/kg : 11.5% 500-1000 g/kg : 4.0%	quantitativ	Extraktion, Gravimetrie
drfa	Peroxide value	POZ	Peroxidzahl in Futtermittel, Titrimetrie nach WHEELER	13.4.ME.053	JA	± 25.5%	quantitativ	Titrimetrie
drfa	Lignina	ADL	Sauredetergentienlignin (ADL) in Futtermittel, Gravimetrie nach Van Soest	13.4.ME.055	JA	10.0 – 99 g/kg : 30% 100 – 300 g/kg : 12%	quantitativ	Dissolution acide, Gravimetrie, Fiberbagtechnology
chma	Cobalt	CO_2	Cobalt mit ICP-OES	13.4.ME.057	JA	± 19.3%	quantitativ	Mineralisierung, ICP-OES
chma	Calcium	CA	Mineralstoffe in Futtermittel, Mineralisierung, ICP-OES	13.4.ME.057	JA	0.05 - 10 g/kg : 16.0% 10 - 30 g/kg : 8.5% 30 - 100 g/kg : 4.0% 100 - 600 g/kg : 3.0%	quantitativ	Mineralisierung, ICP-OES
chma	Copper	CU	Mineralstoffe in Futtermittel, Mineralisierung, ICP-OES	13.4.ME.057	JA	0.002 - 0.03 g/kg : 28.0% 0.03 - 1.7 g/kg : 14.0% 1.7 - 10 g/kg : 7.0% 10 - 250 g/kg : 4.0%	quantitativ	Mineralisierung, ICP-OES
chma	Iron	FE	Mineralstoffe in Futtermittel, Mineralisierung, ICP-OES	13.4.ME.057	JA	0.002 - 0.2 g/kg : 14.0% 0.2 - 2 g/kg : 8.0% 2 - 20 g/kg : 4.0% 20 - 250 g/kg : 7.0%	quantitativ	Mineralisierung, ICP-OES
chma	Potassium	K	Mineralstoffe in Futtermittel, Mineralisierung, ICP-OES	13.4.ME.057	JA	0.05 - 5 g/kg : 15.0% 5 - 10 g/kg : 11.0% 10 - 600 g/kg : 5.0%	quantitativ	Mineralisierung, ICP-OES
chma	Magnesium	MG	Mineralstoffe in Futtermittel, Mineralisierung, ICP-OES	13.4.ME.057	JA	0.05 - 60 g/kg : 9.0% 60 - 600 g/kg : 3.0%	quantitativ	Mineralisierung, ICP-OES
chma	Manganese	MN	Mineralstoffe in Futtermittel, Mineralisierung, ICP-OES	13.4.ME.057	JA	0.002 - 3 g/kg : 13.0% 3 - 35 g/kg : 5.5% 35 - 250 g/kg : 5.0%	quantitativ	Mineralisierung, ICP-OES
chma	Sodium	NA	Mineralstoffe in Futtermittel, Mineralisierung, ICP-OES	13.4.ME.057	JA	0.05 - 10 g/kg : 8.0% 10 - 80 g/kg : 10.0% 80 - 600 g/kg : 3.0%	quantitativ	Mineralisierung, ICP-OES
chma	Phosphorus	P	Mineralstoffe in Futtermittel, Mineralisierung, ICP-OES	13.4.ME.057	JA	0.05 - 4 g/kg : 9.5% 4 - 9 g/kg : 12.0% 9 - 40 g/kg : 6.0% 40 - 600 g/kg : 3.0%	quantitativ	Mineralisierung, ICP-OES
chma	Zinc	ZN	Mineralstoffe in Futtermittel, Mineralisierung, ICP-OES	13.4.ME.057	JA	0.002 - 2 g/kg : 12.0% 2 - 15 g/kg : 6.5% 15 - 250 g/kg : 2.0%	quantitativ	Mineralisierung, ICP-OES
chma	Scan Min	SCANMIN_OES	Scan ICP-OES	13.4.ME.057	JA	n/a	qualitativ	Mineralisierung, ICP-OES
amsi	Crude Fibre	RF-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude protein	RP-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	SEP 2.0 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Dry matter	TSL-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	SEP 4.0 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Starch	ST-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Fibres insoluble in acidic detergents	ADF-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	SEP 6.0 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Fibres insoluble in neutral detergents	NDF-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Total sugar	ZUCK-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	SEP 4.1 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude fat	RLPS-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Water soluble carbohydrates	WSC-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude ash	RA-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Lignina	ADL-NIR	Maispflanze siliert, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Moisture	Moisture-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Dry matter	TSL-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Fibres insoluble in acidic detergents	ADF-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	SEP 6.1 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Fibres insoluble in neutral detergents	NDF-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Total sugar	ZUCK-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Starch	ST-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)

Liste der Analysemethoden

amsi	Crude protein	RP-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude Fibre	RF-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Ash	RA-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	SEP 1.5 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Fibres insoluble in neutral detergents	NDF-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Fibres insoluble in acidic detergents	ADF-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Water soluble carbohydrates	WSC-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Lignina	ADL-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude fat	RLPS-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	ELOS	ELOS-NIR	Maispflanze, frisch, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Fibres insoluble in neutral detergents	NDF-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Water soluble carbohydrates	WSC-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Fibres insoluble in acidic detergents	ADF-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Ash	RA-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude protein	RP-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	SEP 5.7 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Lignina	ADL-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Total sugar	ZUCK-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Dry matter	TSL-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude Fibre	RF-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude fat	RLPS-NIR	Raufutter frisch und getrocknet, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Fibres insoluble in neutral detergents	NDF-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Dry matter	TSL-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Total sugar	ZUCK-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Fibres insoluble in acidic detergents	ADF-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude Fibre	RF-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Lignina	ADL-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Ash	RA-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude protein	RP-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Water soluble carbohydrates	WSC-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude fat	RLPS-NIR	Raufuttersilage, Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.058	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude Fibre	RF-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 1.0 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Dry matter	TSL-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 1.6 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Saturated fatty acids	SAT-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 0.2 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Ash	RA-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 1.0 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Fatty acids as triglycerides	RLGC-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 1.2 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Monounsaturated fatty acids	MONO-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 0.3 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude fat	RLPS-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 1.3 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Polyunsaturated fatty acids	POLS-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 0.7 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude protein	RP-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 1.0 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Iodine number	JZ-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	nicht bestimmt	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Hectolitre mass	HEGE-NIR	Gerste, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	nicht bestimmt	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude protein	RP-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 1.2 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Monounsaturated fatty acids	MONO-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 0.3 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude fat	RLPS-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 0.5 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Fatty acids as triglycerides	RLGC-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 0.9 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Polyunsaturated fatty acids	POLS-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 0.5 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude Fibre	RF-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 1.0 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Dry matter	TSL-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 1.5 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Ash	RA-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	SEP 0.6 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Hectolitre mass	HEGE-NIR	Weizen, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.059	NEIN	nicht bestimmt	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
drla	pH value	PH	pH in Futtermittel, Potentiometrie	13.4.ME.060	JA	± 2.0%	quantitativ	Voltametrie
drla	Buffering power in plant	SBVP	Säurebindungsvermögen in Pflanzen, Titrimetrie	13.4.ME.061	NEIN	± 7.8%	quantitativ	Titrimetrie
amsi	Fatty acids as triglycerides	RLGC-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude Fibre	RF-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Polyunsaturated fatty acids	PUFA-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude ash	RA-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Monounsaturated fatty acids (content)	MONO-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Dry matter	TSL-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Polyunsaturated fatty acids (content)	POLS-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Monounsaturated fatty acids	MUFA-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Saturated fatty acids (content)	SAT-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude protein	RP-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude fat	RLPS-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Saturated fatty acids	SFA-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Iodine number	JZ-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Hectolitre mass	HEGE-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	w3 fatty acids	N3-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	w6 fatty acids	N6-NIR	Körnermais, FAME und Nährstoffgehalt (NIRS)	13.4.ME.062	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
chma	Selenium	SE_2	Selen in der Tiernahrung mit ICP-OES	13.4.ME.064	JA	0.01 - 0.05 g/kg : 25.0% 0.05 - 0.3 g/kg : 15% 0.3 - 1 g/kg : 8.0% 1 - 15 g/kg : 10.0%	quantitativ	Mineralisierung, ICP-OES
chma	Ytterbium	YB	Ytterbium in Futtermittel, Versachung, offene Mineralisierung, ICP-OES	13.4.ME.066	NEIN	± 20.0%	quantitativ	Mineralisierung, ICP-OES
chma	Dry matter	TSL	Trockensubstanz und Rohasche in Futtermittel, Thermogravimetrie	13.4.ME.067	JA	0 - 700 g/kg : 9.7% 700 - 1000 g/kg : 1.2%	quantitativ	ThermoGravimetrie
chma	Ash	RA	Trockensubstanz und Rohasche in Futtermittel, Thermogravimetrie	13.4.ME.067	JA	0 - 100 g/kg : 10.1% 100.1 - 300 g/kg : 9.7% 300.1 - 1000 g/kg : 3.7%	quantitativ	ThermoGravimetrie
chma	Crude ash	RA	Trockensubstanz und Rohasche in Futtermittel, Thermogravimetrie	13.4.ME.067	JA	0 - 100 g/kg : 10.1% 100.1 - 300 g/kg : 9.7% 300.1 - 1000 g/kg : 3.7%	quantitativ	ThermoGravimetrie

Liste der Analysemethoden

drla	Fibres insoluble in neutral detergents	NDF	Neutrale Detergentienfaser (NDF) in Futtermittel, Gravimetrie nach Van Soest	13.4.ME.068	JA	± 8.0%	quantitativ	Dissolution neutre, Gravimetrie, Fiberbagtechnology
drla	Fibres insoluble in acidic detergents	ADF	Saure Detergentienfaser (ADF) in Futtermittel, Gravimetrie nach Van Soest	13.4.ME.069	JA	± 10.0%	quantitativ	Dissolution acide, Gravimetrie, Fiberbagtechnology
duse	Phytic phosphorus	PPHYT	Phytisches Phosphor,	13.4.ME.070	NEIN	± 22.0%	quantitativ	Spektrophotometrie
amsi	Crude ash	RA-NIR	Analysen für Futtermittel, Nahinfrarotspektroskopie (NIR)	13.4.ME.071	NEIN	SEP 4.0 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude Fibre	RF-NIR	Analysen für Futtermittel, Nahinfrarotspektroskopie (NIR)	13.4.ME.071	NEIN	SEP 4.7 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude protein	RP-NIR	Analysen für Futtermittel, Nahinfrarotspektroskopie (NIR)	13.4.ME.071	NEIN	SEP 1.8 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude fat	RLBT-NIR	Analysen für Futtermittel, Nahinfrarotspektroskopie (NIR)	13.4.ME.071	NEIN	SEP 1.5 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
chma	Ash insoluble in HCl	RAU	Salzsäureunlösliche Asche in Futtermittel, Thermogravimetrie	13.4.ME.072	JA	1 - 10 g/kg : ± 20.0% 10 - 100 g/kg : ± 4.7% 100 - 1000 g/kg : ± 0.8%	quantitativ	Aschenauflösung, ThermoGravimetrie
drla	Water soluble carbohydrates	WSC	Gesamtzucker wasserlöslich in Futtermittel, Extraktion, Fotometrie	13.4.ME.073	JA	± 20.1%	quantitativ	Extraction, Spektrophotometrie
drla	Ethanol soluble carbohydrates	ESC	Gesamtzucker ethanolöslich in Futtermittel, Extraktion, Fotometrie	13.4.ME.074	NEIN	± 6.6 g/kg	quantitativ	Extraction, Spektrophotometrie
duse	CYP2E1	CYP2E1	CYP2E1 Aktivität in Schweineleber, Extraktion, HPLC-DAD	13.4.ME.075	NEIN	± 10.0%	quantitativ	Extraktion, HPLC-DAD
duse	Ac. C17 aiso	A17	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C18:1 c9 w9	C181c9	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C16:1 t3	C161t3	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C18:1 c11 w7	C181c11	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C24	C24	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C20:3 w3	C203	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C18:3 c6c9c12 w6	C183c6912	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C14	C14	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Σ Ac. C18:2 unknown	C182x	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C22:5	C225	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C20:1	C201	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C15	C15	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C19:1 c10 w9	C191C10	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C17 iso	I17	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C20:2	C202	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Polysaturated fatty acids	POLS	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Saturated fatty acids	SAT	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C20:5	C205	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C22:4	C224	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C16:1 unknown	C161x1	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C20	C20	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C12	C12	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C17:1 c10 w7	C171c10	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C16	C16	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C18 iso	I18	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C14:1 c9 w5	C141c9	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C22:1	C221	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C18 iso	I16	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C16:1 c9 w7	C161c9	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C18:2 c9c12 w6	C182c9c12	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C22:2	C222	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Σ Ac. C18:1 unknown	C181x	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Fatty acids as triglycerides	RLGC	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C18	C18	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C22:6	C226	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C17	C17	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Σ Ac. C20:2 unknown	C202x	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Σ Ac. C20:1 unknown	C201x	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C22:3	C223	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C26	C26	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C22	C22	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C24:1 c15	C241c15	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Fatty acids unknown	AGNI	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C18:3 c9c12c15 w3 + C20:1 w11	C183c91215	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C10	C10	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C20:3 c8c11c14 w6	C203c81114	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Monounsaturated fatty acids	MONO	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Ac. C20:4 w6	C204	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Omega-6	Omega-6	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Saturated fatty acids-SFA	SFA	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Polyunsaturated fatty acids-PUFA	PUFA	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Total fatty acids	AGTOT	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Monounsaturated fatty acids-MUFA	MUFA	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
duse	Omega-3	Omega-3	Fettsäureprofil in Fettkörpern durch GC	13.4.ME.077	JA	± 15.0%	quantitativ	Umesterung, Derivatisierung, GC-FID
drla	Ammonium nitrogen	NH4N_F	Ammoniumstickstoff in Urin und Kot	13.4.ME.078	NEIN	SEP 4.5 g/kg	quantitativ	Säureaufschluss, kolorimetrische Titration
drla	Ammonium nitrogen	NH4N_U	Ammoniumstickstoff in Urin und Kot	13.4.ME.078	NEIN	± 32.0%	quantitativ	Säureaufschluss, kolorimetrische Titration
amsi	Crude fat	RLPS-NIR	NIRS-Geflügelutter	13.4.ME.079	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude protein	RP-NIR	NIRS-Geflügelutter	13.4.ME.079	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude Fibre	RF-NIR	NIRS-Geflügelutter	13.4.ME.079	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Dry matter	TSL-NIR	NIRS-Geflügelutter	13.4.ME.079	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Ash	RA-NIR	NIRS-Geflügelutter	13.4.ME.079	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
chma	Dry matter	TSLM	Trockensubstanz und Rohasche in Futtermittel, Thermogravimetrie (manuel)	13.4.ME.081	JA	± 2.4%	quantitativ	ThermoGravimetrie
chma	Crude ash	RAM	Trockensubstanz und Rohasche in Futtermittel, Thermogravimetrie (manuel)	13.4.ME.081	JA	± 6.0%	quantitativ	ThermoGravimetrie
chma	Lead	PB	ICP-MS Cd, Co, Pb and Se	13.4.ME.082	JA	± 17.6%	quantitativ	Mineralisation, ICP-MS
chma	Cadmium	CD	ICP-MS Cd, Co, Pb and Se	13.4.ME.082	JA	± 15.1%	quantitativ	Mineralisation, ICP-MS
chma	Cobalt	CO	ICP-MS Cd, Co, Pb and Se	13.4.ME.082	JA	± 17.0%	quantitativ	Mineralisation, ICP-MS
chma	Molybdenum	MO	ICP-MS Cd, Co, Pb and Se	13.4.ME.082	JA	± 20.0%	quantitativ	Mineralisation, ICP-MS
chma	Selenium	SE	ICP-MS Cd, Co, Pb and Se	13.4.ME.082	JA	± 18.0%	quantitativ	Mineralisation, ICP-MS
chma	Scan Min	SCANMIN_MS	Scan ICP-MS	13.4.ME.082	JA	n/a	qualitativ	Mineralisation, ICP-MS
duse	Iohexol	IOHEXO	Bestimmung von Iohexol durch LC-MS/MS	13.4.ME.083	NEIN	± 20.0%	quantitativ	Extraction, LC-MS/MS
duse	1-Methylhistidine	1-MH	Bestimmung von 3-Methylhistidine und 1-Methylhistidine in Serums	13.4.ME.084	NEIN	± 12.0%	quantitativ	Extraction, LC-MS/MS
duse	3-Methylhistidine	3-MH	Bestimmung von 3-Methylhistidine und 1-Methylhistidine in Serums	13.4.ME.084	NEIN	± 7.0%	quantitativ	Extraction, LC-MS/MS
duse	Cortisol	CORTIMS	Bestimmung von Cortisol durch LC-MS/MS in Urin	13.4.ME.085	NEIN	± 10.8%	quantitativ	Extraction, LC-MS/MS
duse	1-Methylhistidine	CORTIMS	Bestimmung von Cortisol durch LC-MS/MS in Urin	13.4.ME.085	NEIN	± 20.0%	quantitativ	Extraction, LC-MS/MS
drla	Chloride	CL	Chloride - Futtermittel - titrimetrisch	13.4.ME.086	JA	± 3.4%	quantitativ	Titrimetrie
chma	Bismuth	BI	Bismuth mit ICP-MS	13.4.ME.090	NEIN	nicht bestimmt	quantitativ	Mineralisation, ICP-MS
amsi	Crude Fibre	RF-NIR	Analysen für Futtermittel, (akkreditiert), Nahinfrarotspektroskopie (NIR)	13.4.ME.091	JA	SEP 7.5 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude protein	RP-NIR	Analysen für Futtermittel, (akkreditiert), Nahinfrarotspektroskopie (NIR)	13.4.ME.091	JA	SEP 9.2 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Dry matter	TSL-NIR	Analysen für Futtermittel, (akkreditiert), Nahinfrarotspektroskopie (NIR)	13.4.ME.091	JA	SEP 4.5 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)

Liste der Analysemethoden

amsi	Crude fat	RLBT-NIR	Analysen für Futtermittel, (akkreditiert), Nahinfrarotspektroskopie (NIR)	13.4.ME.091	JA	SEP 0.9 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Crude ash	RA-NIR	Analysen für Futtermittel, (akkreditiert), Nahinfrarotspektroskopie (NIR)	13.4.ME.091	JA	SEP: 0.9 g/kg	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
dria	Soil impurities	EV	Erde Verunreinigung (anorganisch) - Rauhfutter - Gravimetrie	13.4.ME.092	NEIN	± 5.2%	quantitativ	décantation puis détermination gravimétrique
amsi	Iodine number	JZ-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Polyunsaturated fatty acids	PUFA-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Monounsaturated fatty acids	MUFA-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Dry matter	TSL-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Saturated fatty acids	SFA-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Fatty acids as triglycerides	RLGC-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	ω3 fatty acids	N3-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	ω6 fatty acids	N6-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	Linoleic acid	LA-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)
amsi	α-linolenic acid	αLA-NIR	Fettgehalt in Schweinfett (NIRS)	13.4.ME.099	NEIN	auf Anfrage	quantitativ	Spektrometrie im nahen Infrarotbereich (NIR)